

MEDICAL GENETICS

الترجمة واصطناع البروتينات

Translation and protein synthesis

جامعة دمشق

كلية العلوم الصحية - الفصل الثاني

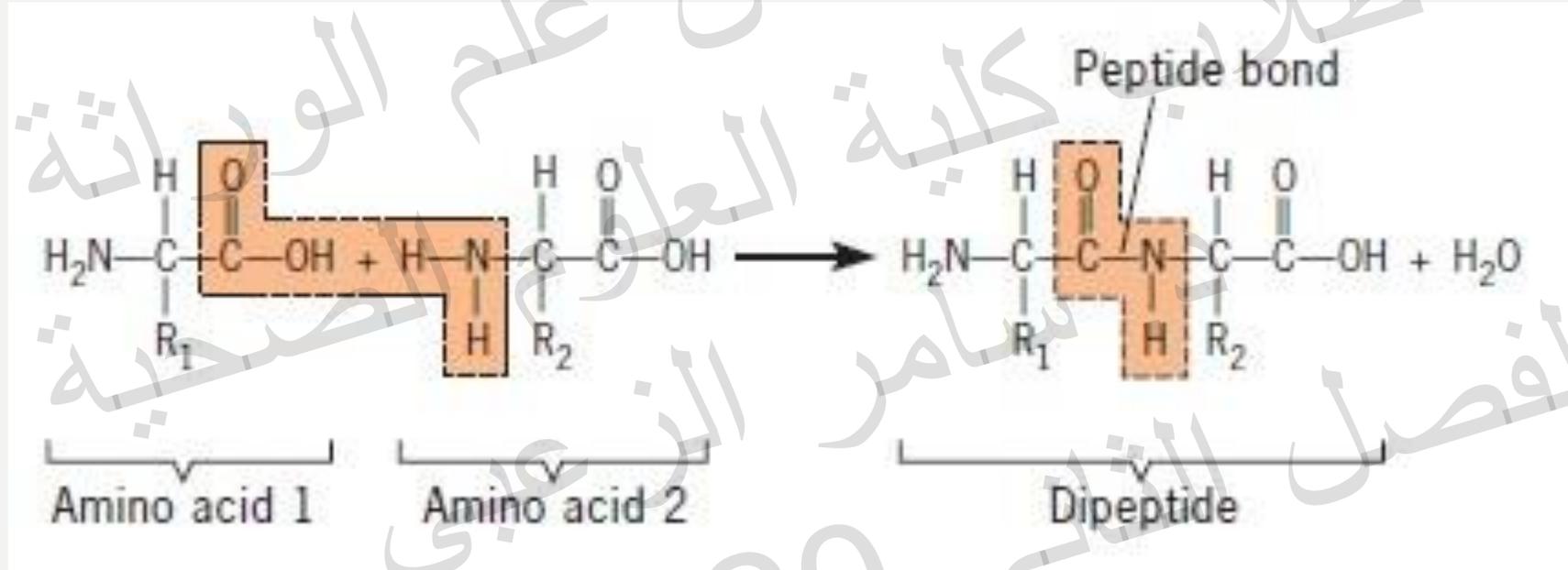
السنة الثانية

د. سامر الزعبي

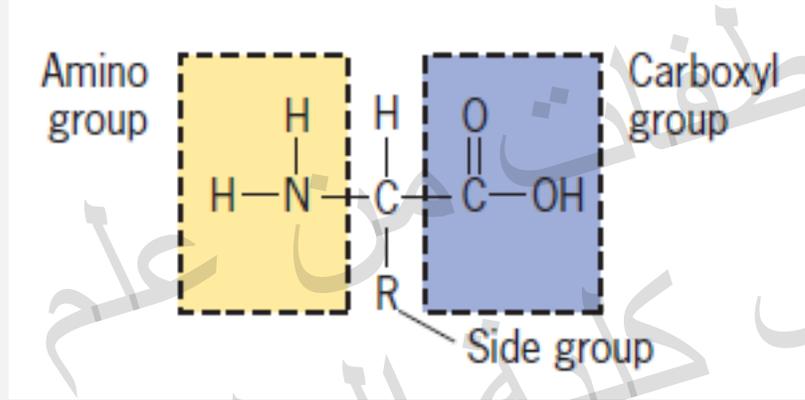
2020/06/17

مراجعة بنية البروتينات:

- تشكل البروتينات 15% من الوزن الرطب للخلايا ولها أدواراً هامة في الخلية.
- تتألف البروتينات من عديدات الببتيد، يرمز كل عديد بببتيد (سلسلة ببتيدية) أحد الجينات.
- يتألف عديد الببتيد من تتال طويل من الأحماض الأمينية المرتبطة معاً بروابط تساهمية تدعى الروابط الببتيدية.



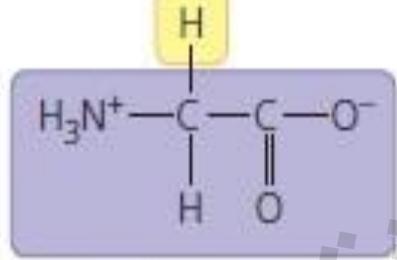
- يوجد 20 حمضاً أمينياً في معظم البروتينات، كل الأحماض (عدا البرولين) تحتوي على مجموعة أمينية حرة ومجموعة كربوكسيلية حرة.



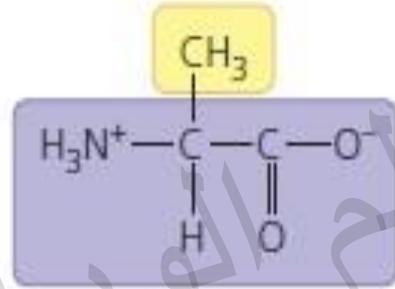
- يتألف الببتيد من اثنين أو أكثر من الأحماض الأمينية، أما عديدات الببتيد فهي تتأليات طويلة من الأحماض الأمينية تتراوح بين (51 في الأنسولين إلى أكثر من 1000 في بروتين الفبروين الموجود في الحرير).
- العدد الكلي لاحتمالات عديد ببتيد بطول 100 حمض أميني هو 20^{100}
- العدد الكلي لاحتمالات عديد ببتيد بطول 7 هو 20^7 ويساوي 1.28 مليار احتمال.
- الأحماض الأمينية الكارهة للماء (غير القطبية): الغليسين - الألانين - الفالين - اللوسين - الإيزولوسين - البرولين - الفينيل ألانين - التربتوفان - **الميثيونين**.
- الأحماض الأمينية المحبة للماء (القطبية): السيرين - الثريونين - التيروسين - الأسباراجين - الغلوتامين - السستئين.
- الأحماض الأمينية الحمضية: الحمض الأسبارتي - الحمض الغلوتامي.
- الأحماض الأمينية القلوية: الليزين - الأرجينين - الهستيدين.

Nonpolar side chains; hydrophobic

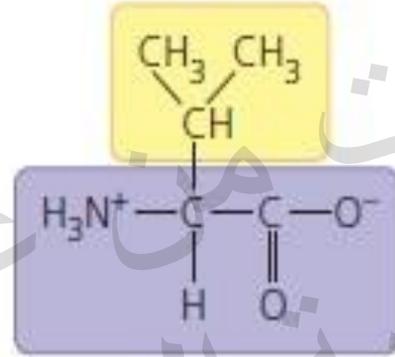
Side chain
(R group)



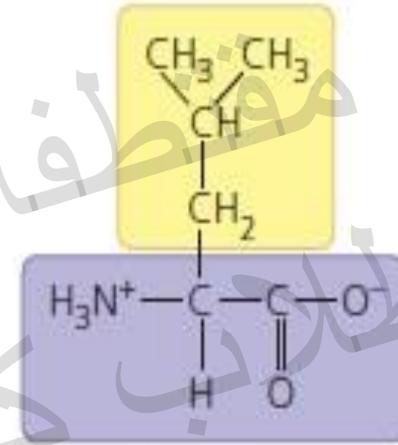
Glycine
(Gly or G)



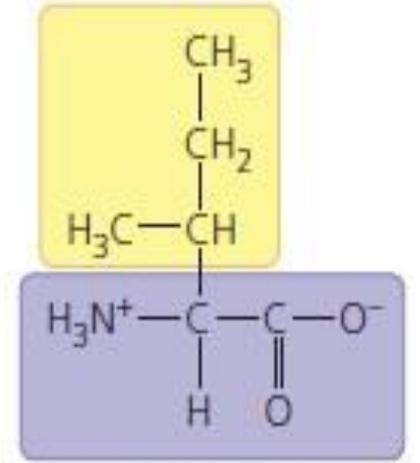
Alanine
(Ala or A)



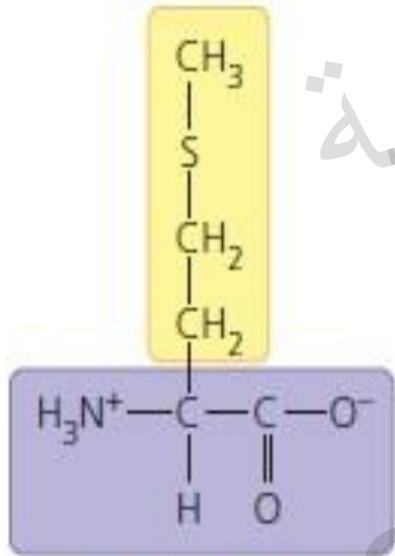
Valine
(Val or V)



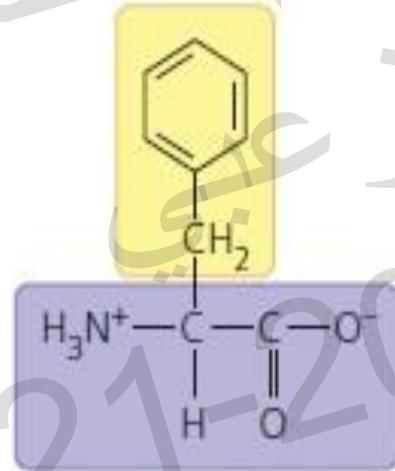
Leucine
(Leu or L)



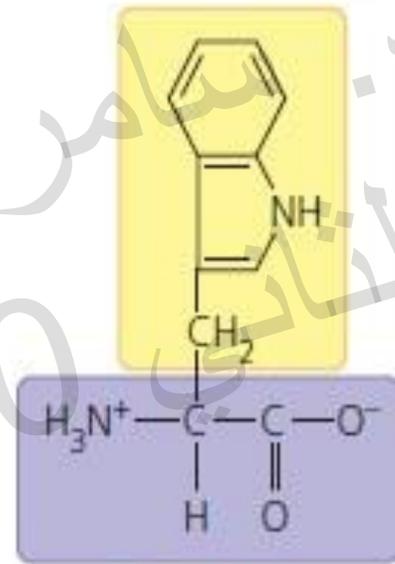
Isoleucine
(Ile or I)



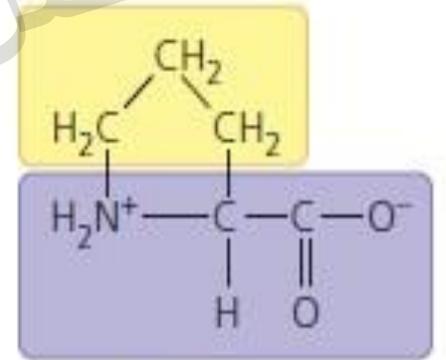
Methionine
(Met or M)



Phenylalanine
(Phe or F)



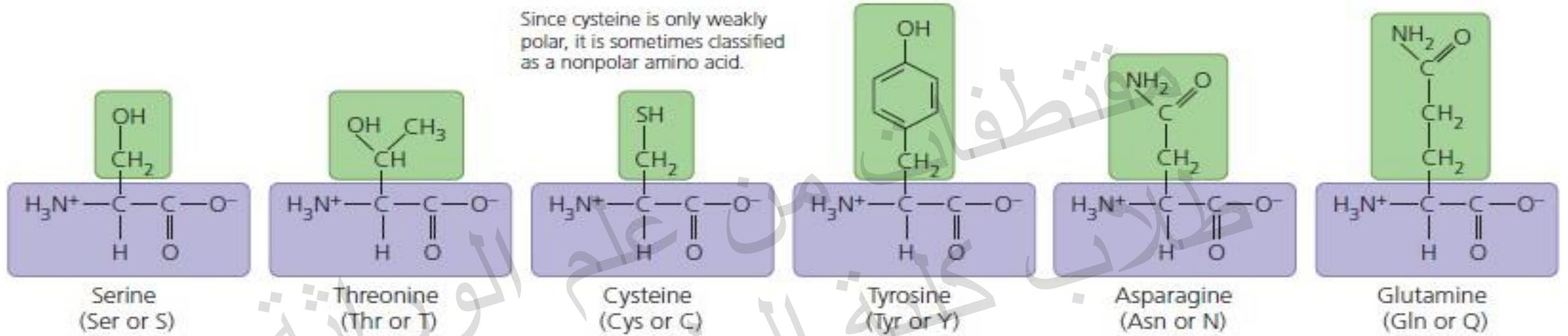
Tryptophan
(Trp or W)



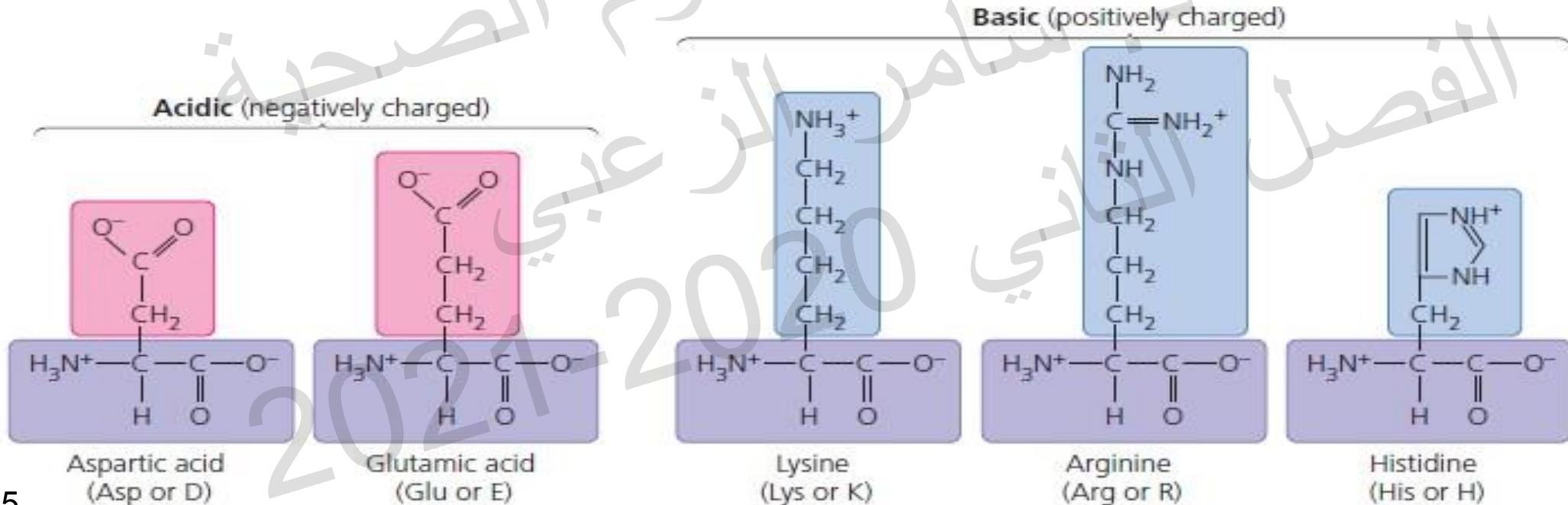
Proline
(Pro or P)

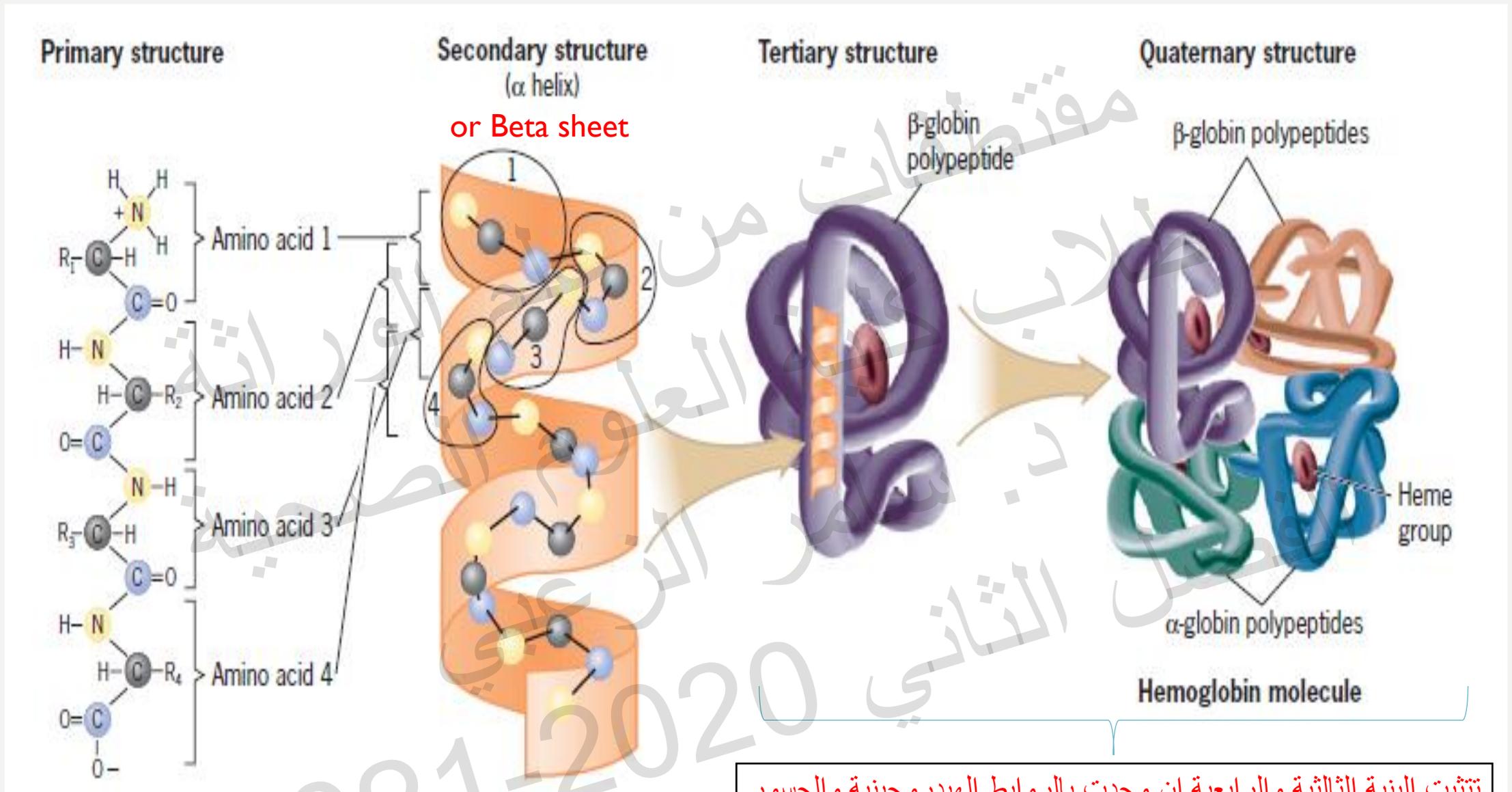
Polar side chains; hydrophilic

Since cysteine is only weakly polar, it is sometimes classified as a nonpolar amino acid.



Electrically charged side chains; hydrophilic



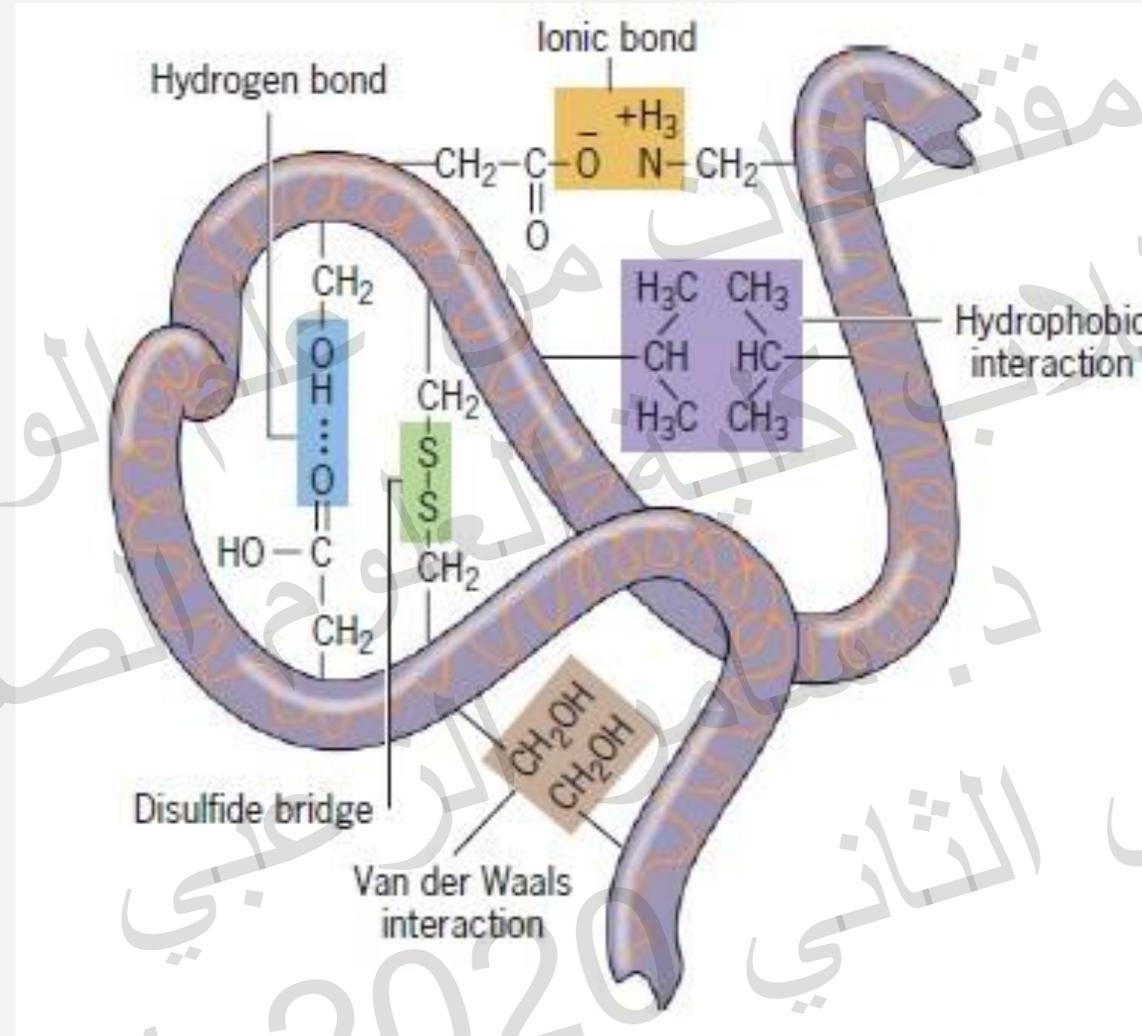


تتسلسل الحموض الأمينية
ونوعها

تتثبت بالروابط الهيدروجينية
بين الأحماض الأمينية المتقابلة

تتثبت البنية الثالثية والرابعة إن وجدت بالروابط الهيدروجينية والجسور
الملحية بين الشحنات المتقابلة والروابط الكارهة للماء وقوى فاندرالس،
والروابط ثنائية الكبريت بين ثمالات السيستئين المتقابلة (وهي الأقوى)

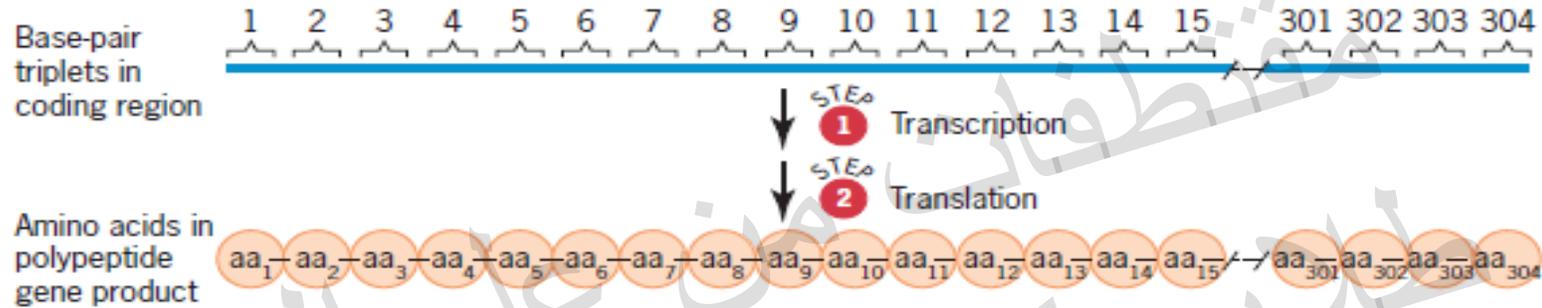
بنية البروتينات



أنواع الروابط المثبتة للبنية الثالثية للبروتين

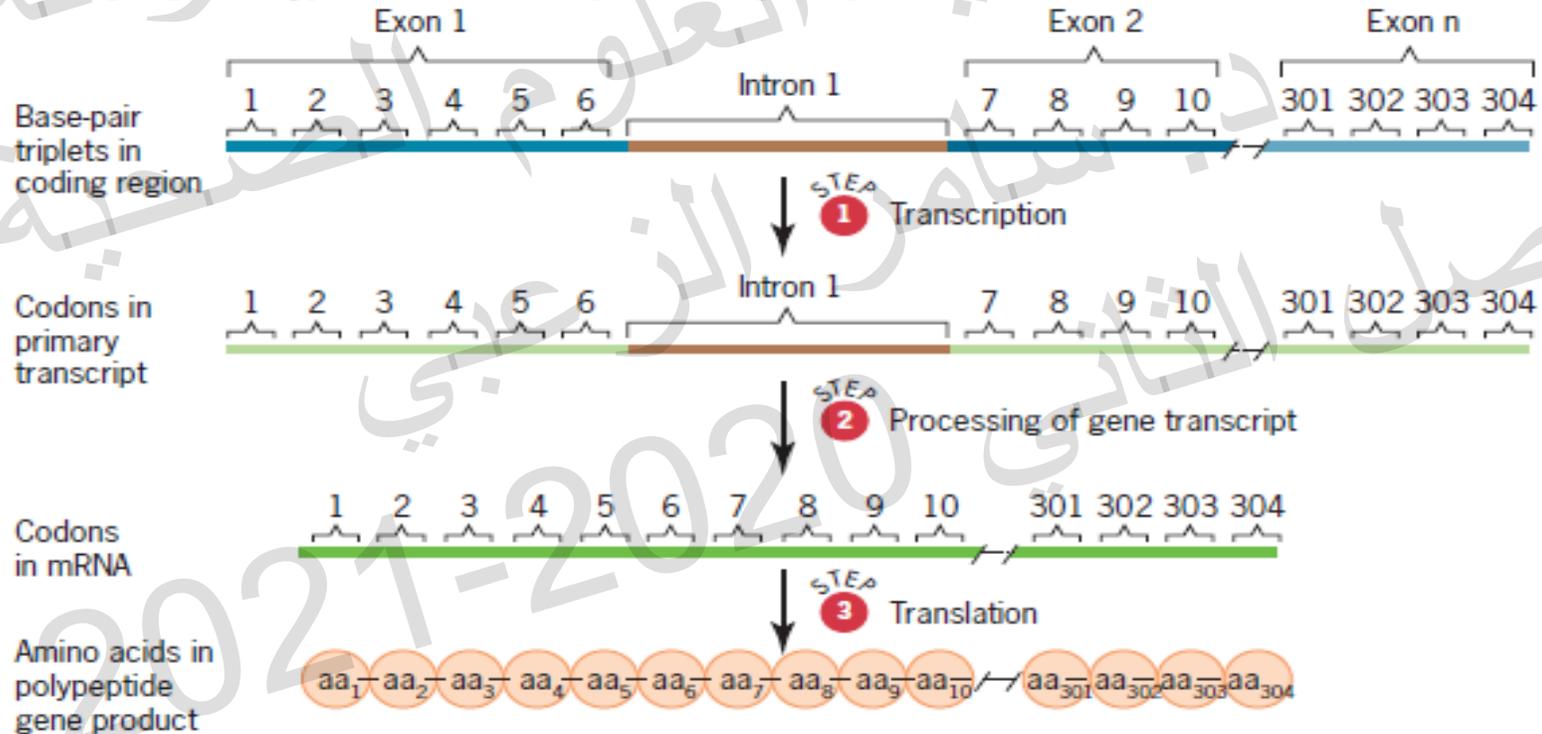
العلاقة الخطية بين الـ RNA المرسل و عديد الببتيد

Coding region of typical uninterrupted prokaryotic gene.



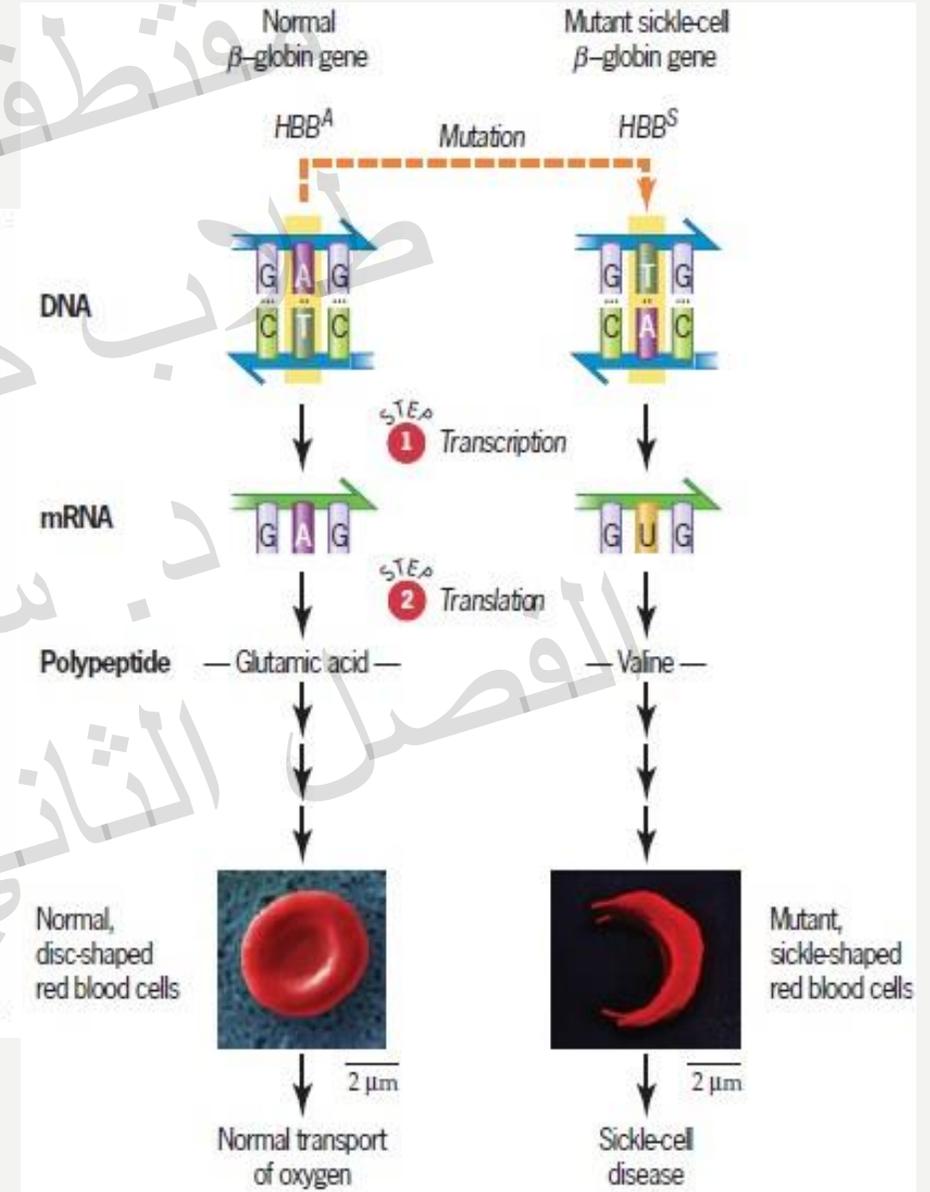
(a)

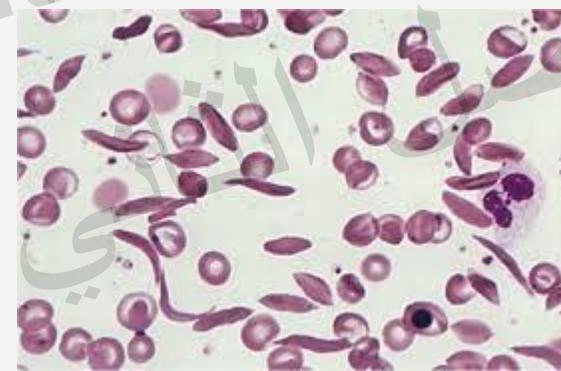
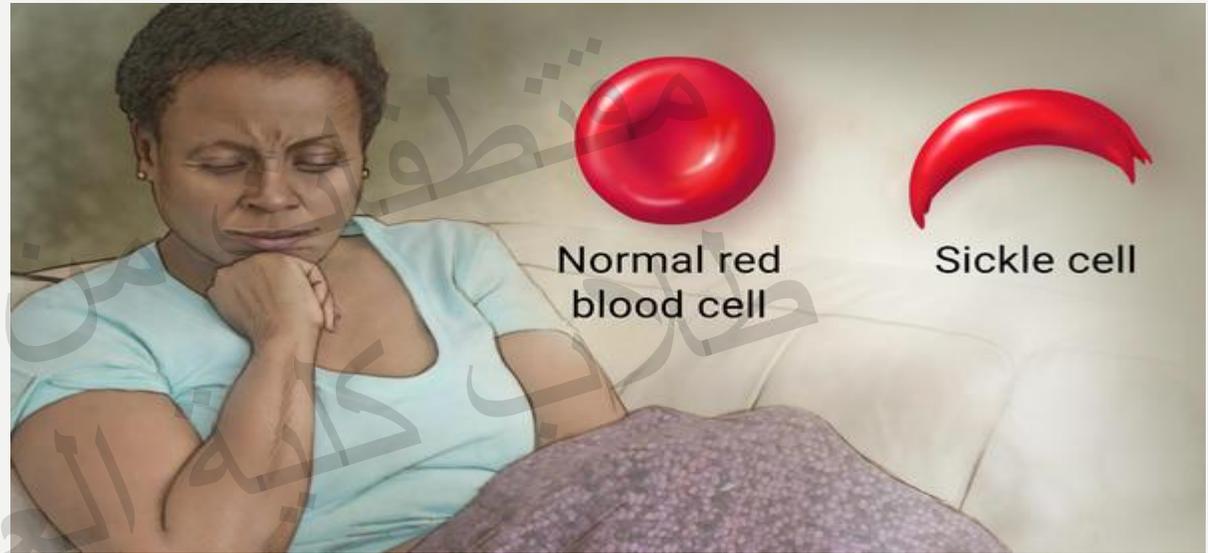
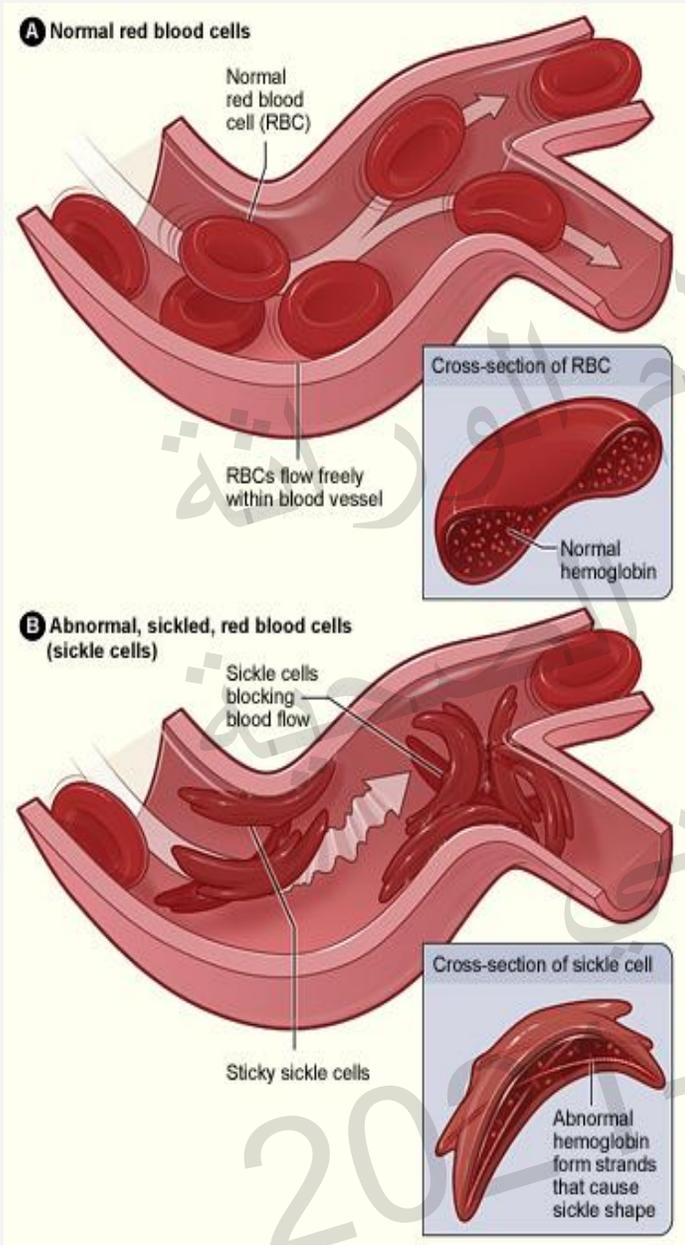
Coding region of typical intron-interrupted eukaryotic gene.



(b)

NORMAL β -GLOBIN				
DNA.....	TGA	GGA	CTC	CTC.....
mRNA.....	ACU	CCU	GAG	GAG.....
Amino acid.....	Thr	Pro	Glu	Glu.....
	4	5	6	7
MUTANT β -GLOBIN				
DNA.....	TGA	GGA	CAC	CTC.....
mRNA.....	ACU	CCU	GUG	GAG.....
Amino acid.....	Thr	Pro	Val	Glu.....
	4	5	6	7





		Second letter				
		U	C	A	G	
U	UUU } Phe (F)	UCU } Ser (S)	UAU } Tyr (Y)	UGU } Cys (C)	U	
	UUC } Leu (L)	UCC } Ser (S)	UAC } Tyr (Y)	UGC } Cys (C)	C	
	UUA } Leu (L)	UCA } Ser (S)	UAA Stop (terminator)	UGA Stop (terminator)	A	
	UUG } Leu (L)	UCG } Ser (S)	UAG Stop (terminator)	UGG Trp (W)	G	
C	CUU } Leu (L)	CCU } Pro (P)	CAU } His (H)	CGU } Arg (R)	U	
	CUC } Leu (L)	CCC } Pro (P)	CAC } His (H)	CGC } Arg (R)	C	
	CUA } Leu (L)	CCA } Pro (P)	CAA } Gln (Q)	CGA } Arg (R)	A	
	CUG } Leu (L)	CCG } Pro (P)	CAG } Gln (Q)	CGG } Arg (R)	G	
A	AUU } Ile (I)	ACU } Thr (T)	AAU } Asn (N)	AGU } Ser (S)	U	
	AUC } Ile (I)	ACC } Thr (T)	AAC } Asn (N)	AGC } Ser (S)	C	
	AUA } Ile (I)	ACA } Thr (T)	AAA } Lys (K)	AGA } Arg (R)	A	
	AUG Met (M) (initiator)	ACG } Thr (T)	AAG } Lys (K)	AGG } Arg (R)	G	
G	GUU } Val (V)	GCU } Ala (A)	GAU } Asp (D)	GGU } Gly (G)	U	
	GUC } Val (V)	GCC } Ala (A)	GAC } Asp (D)	GGC } Gly (G)	C	
	GUA } Val (V)	GCA } Ala (A)	GAA } Glu (E)	GGA } Gly (G)	A	
	GUG } Val (V)	GCG } Ala (A)	GAG } Glu (E)	GGG } Gly (G)	G	

First (5') letter

Third (3') letter

- خواصها
- أهميتها

الرمز الوراثي أو الشيفرة الوراثية The Genetic Code

خصائص الرمز الوراثي Properties of Genetic Code

حُدثت المعالم الرئيسية للرمز الوراثي خلال ستينيات القرن الماضي، وشملت ما يلي:

1. يتألف كل رمز (رمز أو رمز) Codon من ثلاثيات نوكليويدية. تحدد كل ثلاثة نوكليويدات من الرنا المرسال (الناضج) حمضاً أمينياً واحداً في عديد الببتيد الناتج.
2. الرمز الوراثي غير متداخل Nonoverlapping عموماً. ينتمي كل نوكليويد إلى واحد فقط من الروامز، باستثناء بعض الحالات الخاصة حين تتداخل بعض الجينات ويتم قراءة التسلسل النوكليويدي بإطاري ترجمة مختلفين.
3. الرمز الوراثي لا يحتوي فواصل. لا توجد فواصل أو أي من علامات الترقيم الأخرى بين المناطق المرمزة في الرنا المرسال. وخلال الترجمة، تُقرأ الروامز بشكل متتالي وغير منقطع. ملاحظة: يدعى التالي النوكليويدي المستمر للرنا المرسال بدءاً من الرمز AUG إلى أحد رومز الإيقاف بإطار القراءة المفتوح للترجمة Open reading Frame أو ORF.
4. الرمز الوراثي متعدد Degenerate. فجميع الأحماض الأمينية، إلا اثنين منها تحدد بأكثر من ثلاثية نوكليويدية، أي أكثر من رمز.
5. الرمز الوراثي غير ملتبس Unambiguous. يحدد كل رمز حمضاً أمينياً واحداً فقط.
6. الرمز الوراثي مرتب ومنظم. تكون الروامز المرمزة للحمض الأميني الواحد، وكذلك المرمزة لأحماض أمينية متشابهة بالخصائص الكيميائية، متشابهة وتختلف عادةً بنوكليويد واحد.
7. تتضمن الروامز الوراثية رمز بدء Start Codon واحد هو AUG وثلاثة رومز توقف Stop Codons هي UAA و UGA و UAG.
8. الرمز الوراثي عام تقريباً Nearly Universal. على الرغم من وجود بعض الاستثناءات، تمتلك الروامز نفس المعنى، وتقرأ بنفس الطريقة تقريباً في جميع الكائنات الحية، من الجراثيم إلى الإنسان. ملاحظة: تظهر أهمية هذه الصفة لدى إنتاج بروتينات بشرية في الجراثيم عبر إدخال جين بشري فيها تعبر عن رنا مرسال بشري لتتم قراءته وترجمته بالشكل نفسه في الجراثيم كما في الإنسان.

		Second letter				
		U	C	A	G	
U	UUU } Phe (F)	UCU } Ser (S)	UAU } Tyr (Y)	UGU } Cys (C)	U	
	UUC } Leu (L)	UCC } Ser (S)	UAC } Tyr (Y)	UGC } Cys (C)	C	
	UUA } Leu (L)	UCA } Ser (S)	UAA Stop (terminator)	UGA Stop (terminator)	A	
	UUG } Leu (L)	UCG } Ser (S)	UAG Stop (terminator)	UGG Trp (W)	G	
C	CUU } Leu (L)	CCU } Pro (P)	CAU } His (H)	CGU } Arg (R)	U	
	CUC } Leu (L)	CCC } Pro (P)	CAC } His (H)	CGC } Arg (R)	C	
	CUA } Leu (L)	CCA } Pro (P)	CAA } Gln (Q)	CGA } Arg (R)	A	
	CUG } Leu (L)	CCG } Pro (P)	CAG } Gln (Q)	CGG } Arg (R)	G	
A	AUU } Ile (I)	ACU } Thr (T)	AAU } Asn (N)	AGU } Ser (S)	U	
	AUC } Ile (I)	ACC } Thr (T)	AAC } Asn (N)	AGC } Ser (S)	C	
	AUA } Ile (I)	ACA } Thr (T)	AAA } Lys (K)	AGA } Arg (R)	A	
	AUG Met (M) (initiator)	ACG } Thr (T)	AAG } Lys (K)	AGG } Arg (R)	G	
G	GUU } Val (V)	GCU } Ala (A)	GAU } Asp (D)	GGU } Gly (G)	U	
	GUC } Val (V)	GCC } Ala (A)	GAC } Asp (D)	GGC } Gly (G)	C	
	GUA } Val (V)	GCA } Ala (A)	GAA } Glu (E)	GGA } Gly (G)	A	
	GUG } Val (V)	GCG } Ala (A)	GAG } Glu (E)	GGG } Gly (G)	G	

First (5') letter

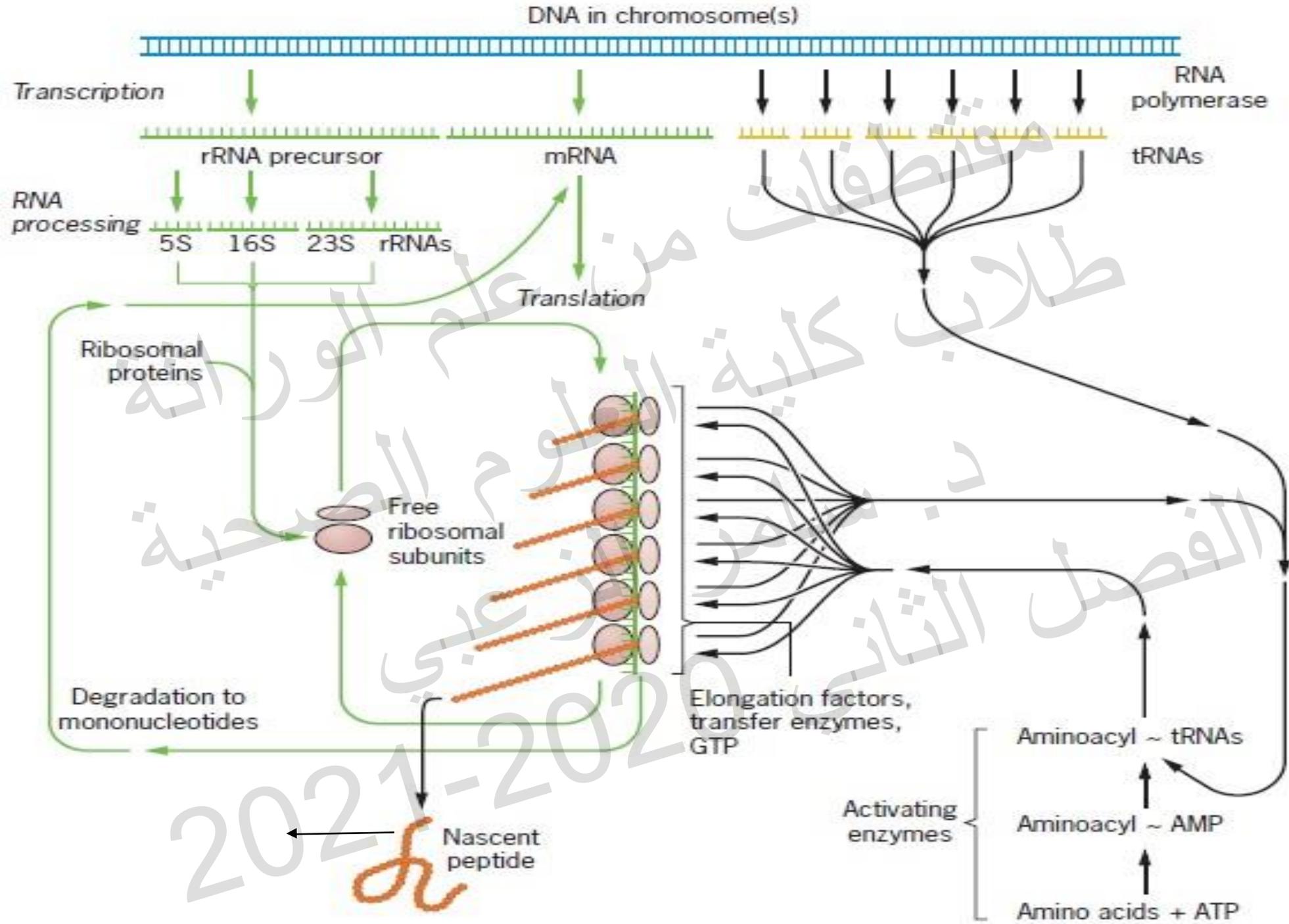
Third (3') letter

- خواصها
- أهميتها

• متطلبات ترجمة الرامز الجيني

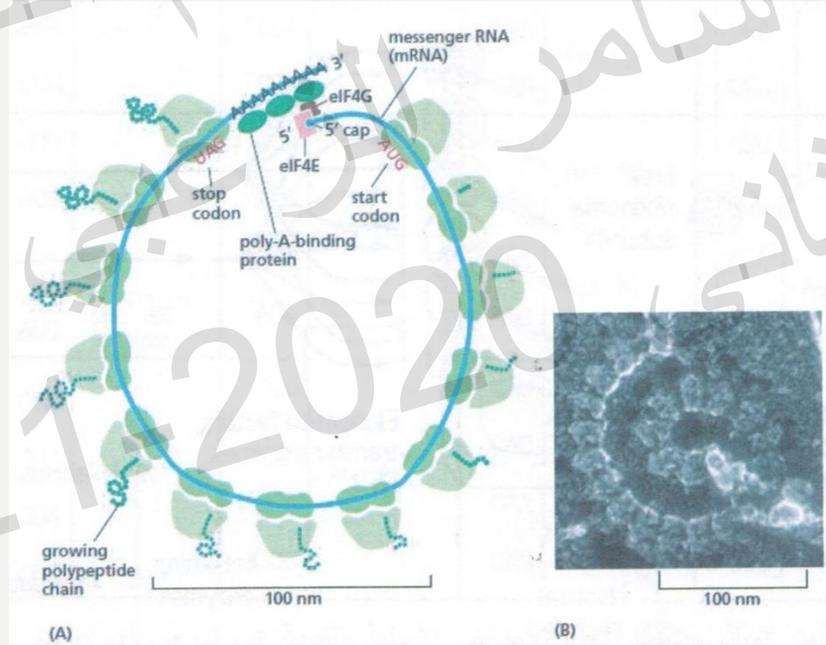
1. أكثر من 50 عديد ببتيدي و 3-5 جزيئات RNA موجودة في كل ريبوسم Ribosome
 2. على الأقل 20 إنزيمياً يقوم كل منها بتنشيط أحد الأحماض الأمينية
 3. 40-60 جزيء RNA ناقل مختلف (tRNA)
 4. الكثير من البروتينات المنحلة التي تساعد في مراحل البدء والإطالة والإنهاء.
-

- تحتوي بعض عديدات الببتيد على تتاليات قصيرة من الأحماض الأمينية عند النهايات الأمينية أو الكربوكسيلية التي تعمل كإشارات لنقل عديدات الببتيد إلى حجرات خلوية نوعية مثل الشبكة الإندوبلازمية والمتقدرات والصابغات أو النواة.
- تحتوي البروتينات المفرزة على تتالي إشارة عند النهاية الأمينية الذي يوجه عديد الببتيد الناشئ إلى أغشية الشبكة الإندوبلازمية.
- توجد تتاليات على النهاية الأمينية للبروتينات التي تستهدف المتقدرات والصابغات الخضراء.
- تحتوي البروتينات النووية على تتاليات عند النهايات الكربوكسيلية.
- تتم إزالة الببتيدات المستهدفة (أو تتاليات الإشارة) إنزيمياً بتوسط ببتيديات Peptidases نوعية بعد نقل البروتين إلى الحجرة الخلوية المناسبة.



الريباسات Ribosomes

- ❖ مختبرات مع آلات و معدات لصنع البروتينات.
- ❖ غير نوعية !!!!!!!!!!!!!!!!!!!!!
- ❖ تتم ترجمة جزيء الـ RNA المرسل نفسه بشكل متزامن من قبل عدة ريباسات مما ينتج عنه تشكل بنية عديدة الريباسات Polysomes أو الجسميات المتعددة Polysomes.
- ❖ ثلث الكتلة الجافة لمعظم الخلايا من جزيئات تساهم بشكل مباشر في اصطناع البروتينات.
- ❖ تنتشر الريباسات في أرجاء الخلية عند بدائيات النوى.
- ❖ تتوضع الريباسات في الهيولى عند حقيقيات النوى، بشكل مكثف على الوجه الهولي لأغشية الشبكة الإندوبلازمية.

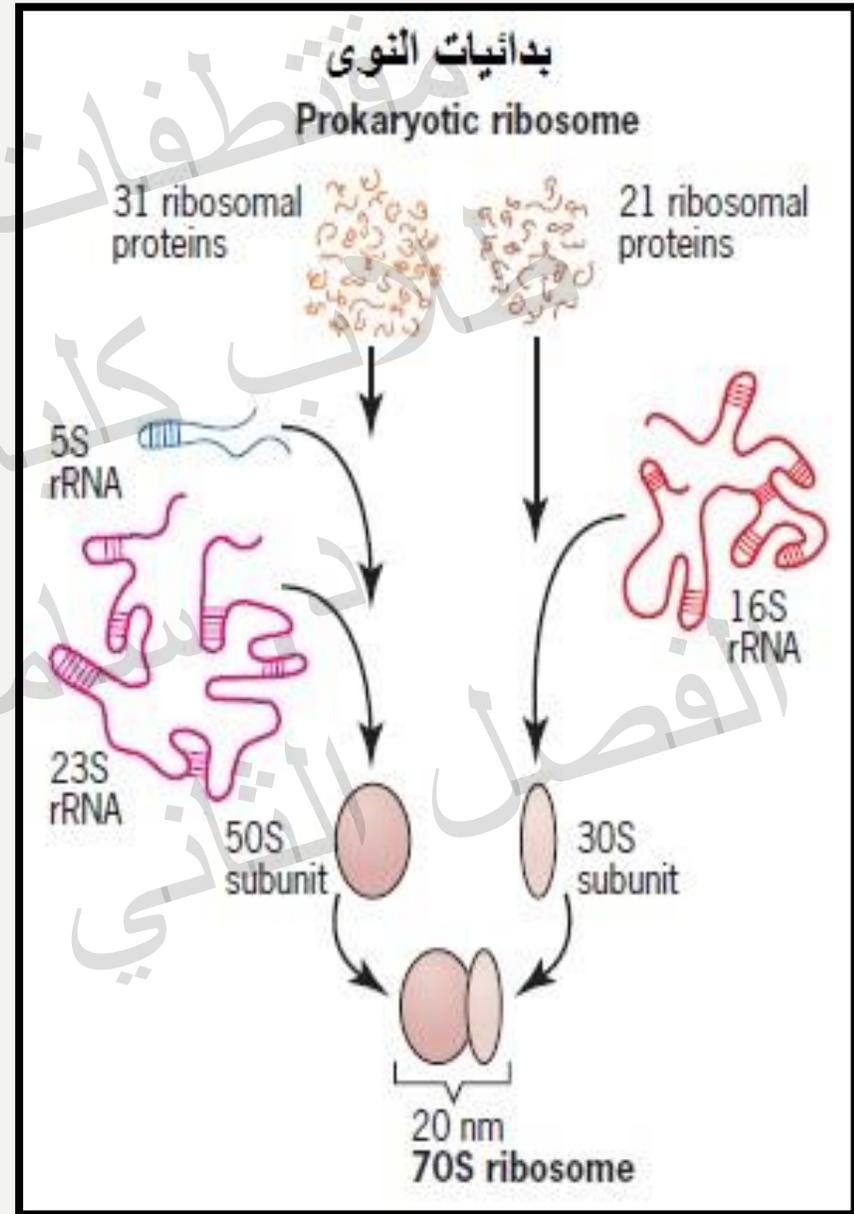
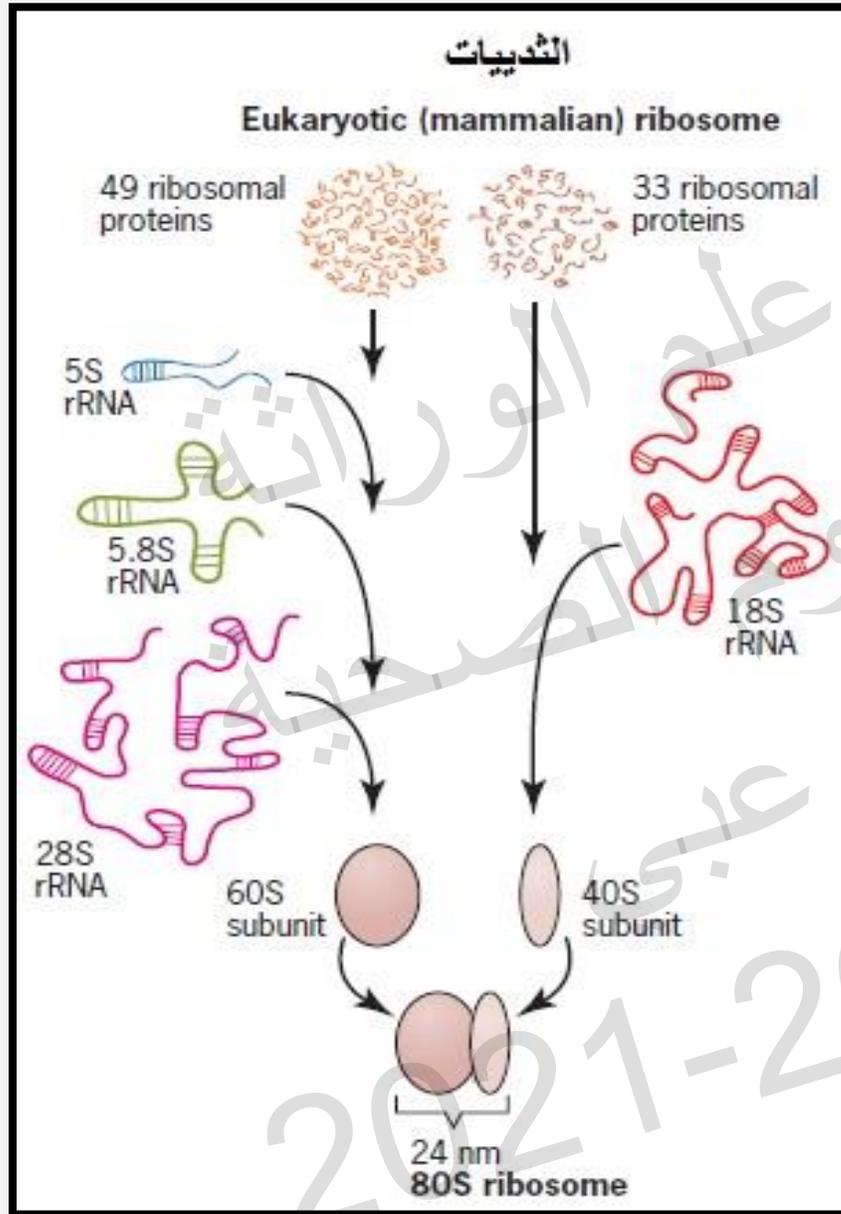


الريباسات Ribosomes

- ❖ تتكون الريباسات من تقريباً 50% بروتين و 50% جزيئات RNA.
- ❖ تتألف من وحيدتين، كبيرة و صغيرة، مختبرات مع آلات و معدات لصنع البروتينات.
- ❖ تتألف كل وحيدة من جزيء RNA كبير مطوي تتجمع عليه البروتينات الريباسية.

المتقدرات و الصانعات الخضراء (ح ق ن)	حقيقيات النوى	بدائيات النوى	
60S	80S	70S	عامل تسدم الريباسية
نفسها	نفسها	نفسها	البنية ثلاثية الأبعاد

Ribosomes الريباسات

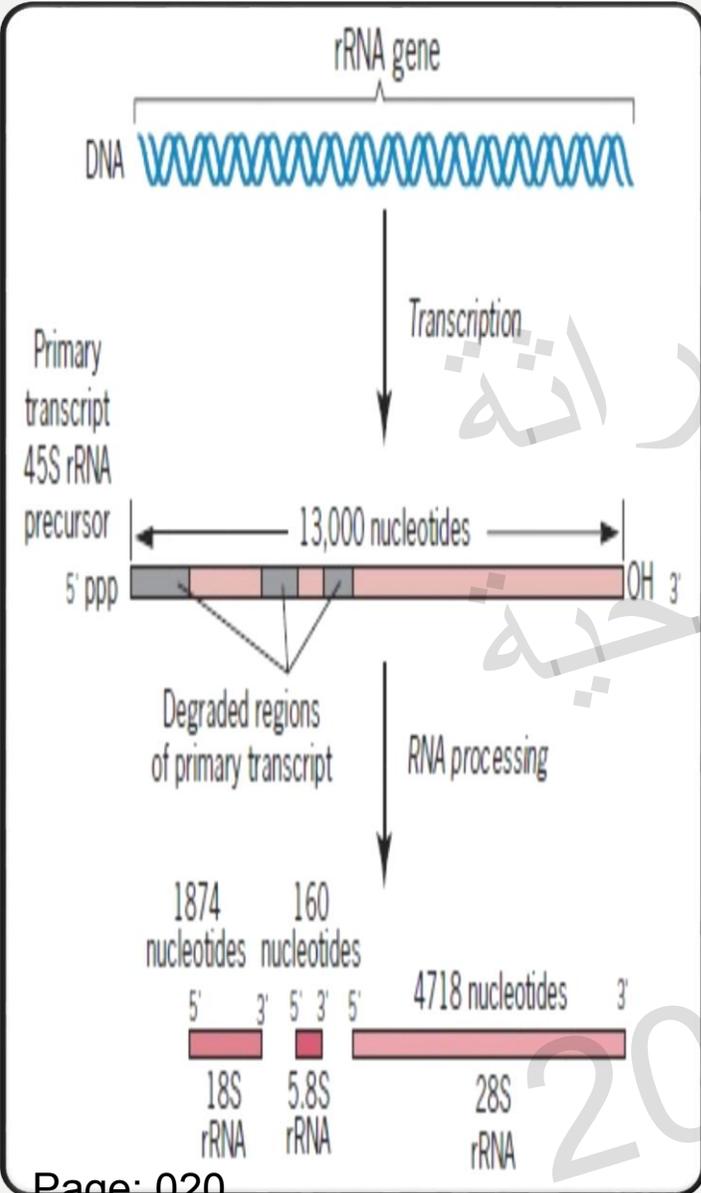


الريباسات Ribosomes

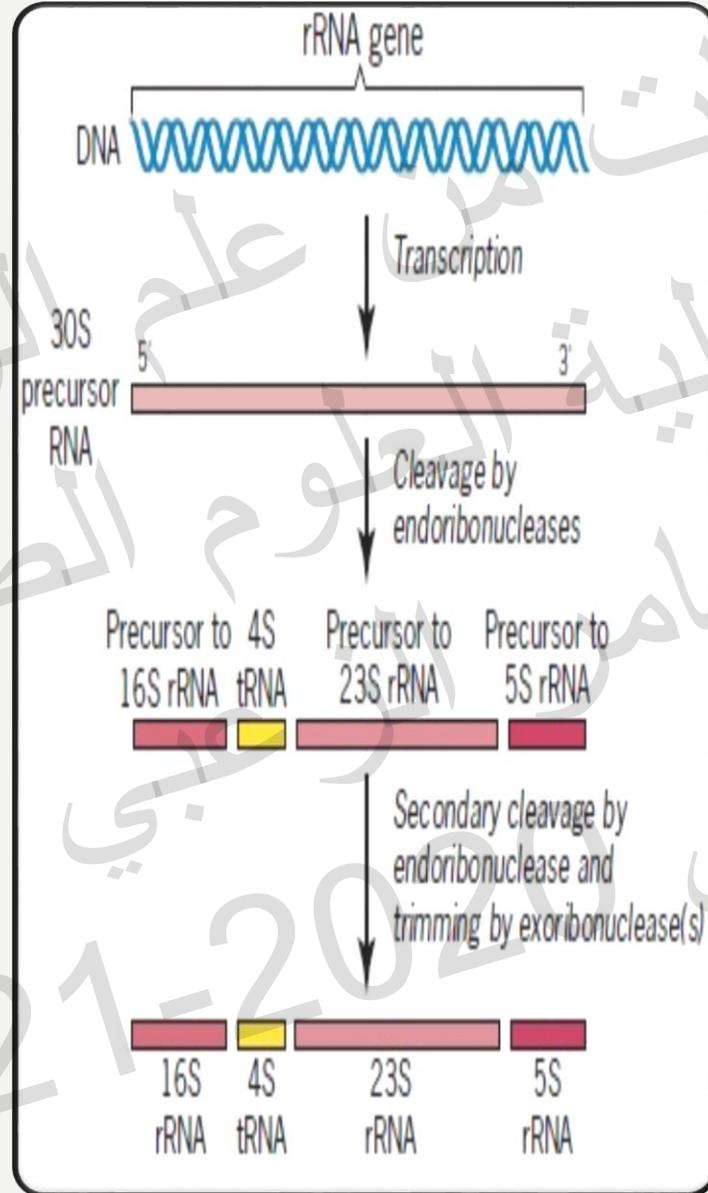
بدائيات النوى		
الوحيدة الكبيرة (50S)	الوحيدة الصغيرة (30S)	المحتوى
جزيئين رنا ريباسي 5S و 23S + 31 عديد بيتيد مختلف	رنا ريباسي 16S+21 عديد بيتيد مختلف	
الثدييات		
الوحيدة الكبيرة (60S)	الوحيدة الصغيرة (40S)	المحتوى
3 جزيئات رنا ريباسي 5S و 5.8S و 28S + 49 عديد بيتيد مختلف	رنا ريباسي 18S+33 عديد بيتيد مختلف	

انتساخ وشطر جزيئات الـ RNA الريباسي اللاحق للانتساخ

الثدييات



بدائيات النوى



• تُنتسَخ جزيئات الـ rRNA من سلاسل الـ DNA المرصافة. يحدث اصطناع جزيئات الـ rRNA في حقيقيات النوى داخل النوية بتوسط إنزيم البوليميراز الـ RNA الأول Pol I، تُعد النوية جزءاً كثيفاً جداً من النواة وهي تتخصص في اصطناع جزيئات الـ rRNA وتجميعه مع البروتينات الريباسية.

• تكون جينات جزيئات الـ rRNA في الـ DNA على شكل مصفوفات متعاقبة ومتجاورة تفصلها مناطق غير حاوية على جينات.

• تنتسَخ جينات جزيئات الـ rRNA على شكل طلائع rRNA (rRNA Precursors) تخضع لاحقاً لشطر لاحق للانتساخ post-transcriptional cleavage يؤدي إلى جزيئات rRNA ناضجة أصغر حجماً.

• تكون طليعة rRNA بحجم 30S في جراثيم E. coli وينتج عن شطرها الإنزيمي جزيئات rRNA ناضجة بحجم 5S, 16S, 23S إضافة إلى جزيء RNA ناقل (tRNA) بحجم 4S.

• في الثدييات تكون طليعة rRNA بحجم 45S وينتج عن شطرها جزيئات rRNA ناضجة بحجم 28S, 5.8S, 18S، بينما ينتج جزيء rRNA بحجم 5S عن شطر طليعة rRNA لجين مختلف آخر.

انتساخ وشطر جزيئات الـ RNA الريباسي اللاحق للانتساخ

- توجد جينات جزيئات الـ rRNA بعدة نسخ في مجائن Genomes جميع الكائنات الحية وذلك لتلبية العدد الكبير من الجسيمات الريبية (الريباسات) الموجودة داخل الخلايا الحية.
- في E. coli تنتشر 7 جينات rRNA في 3 مواقع مختلفة لصبغي الخلية الوحيد.
- يتراوح عدد نسخ جينات الـ rRNA في حقيقيات النوى بين مئات إلى آلاف النسخ متوزعة بين عدة صبغيات.
- توجد في الإنسان مواقع جينات الـ rRNA (5.8S, 18S, 28S) في الصبغيات 13 و 14 و 15 و 21 و 22 ، بينما توجد مواقع جينات 5S في عدة صبغيات أخرى.

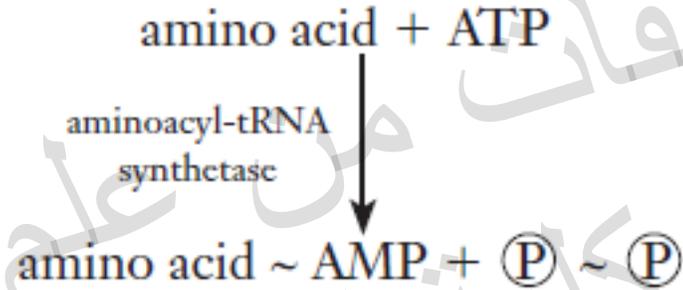
جزيئات الـ RNA الناقل (tRNAs) Transfer RNAs

- يبلغ حجمها 4S و يتراوح طولها بين 70-95 نوكلوتيداً.
- تُنتسخ جزيئات الـ tRNA على شكل طلائع تخضع فيما بعد لعمليات عدة كالشطر و المثيلة و تعديل بعض الأسس النوكلوتيدية.
- يتم تعديل أسس الـ tRNA (A, U, G, and C) (بعد الانتساخ) لينتج عنها نوكلوتيدات غير عادية توجد في جزيئات الـ tRNA.
- تحتوي جزيئات الـ tRNA على تتالي نوكلوتيدي ثلاثي يسمى الرامز المعاكس أو Anticodon وهو متمم لتتالي أحد الروامز Codons في جزيء الـ RNA المرسل.
- يتشافع الـ Anticodon مع الـ Codon أثناء عملية الترجمة.
- يوجد 1 إلى 4 جزيئات tRNA لكل حمض من الأحماض الأمينية.
- ترتبط الأحماض الأمينية بجزيئات الـ tRNA عبر روابط عالية الطاقة بين المجموعات الكربوكسيلية للأحماض الأمينية و النهاية الهيدروكسيلية 3' لجزيئات الـ tRNA.
- يتم تحميل الحمض الأميني على جزيء الـ tRNA عبر خطوتين بواسطة إنزيم Aminoacyl-tRNA Synthetase كما في الشكل التالي:

تحميل الحمض الأميني على جزيء الـ RNA الناقل الخاص به

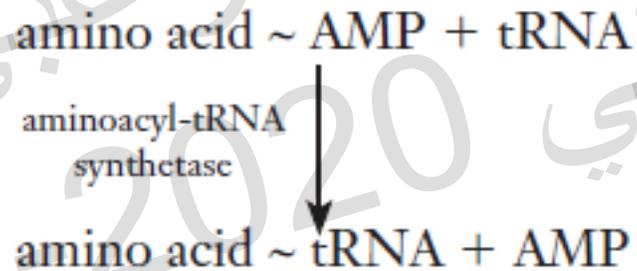
Step 1

تفعيل الحمض الأميني

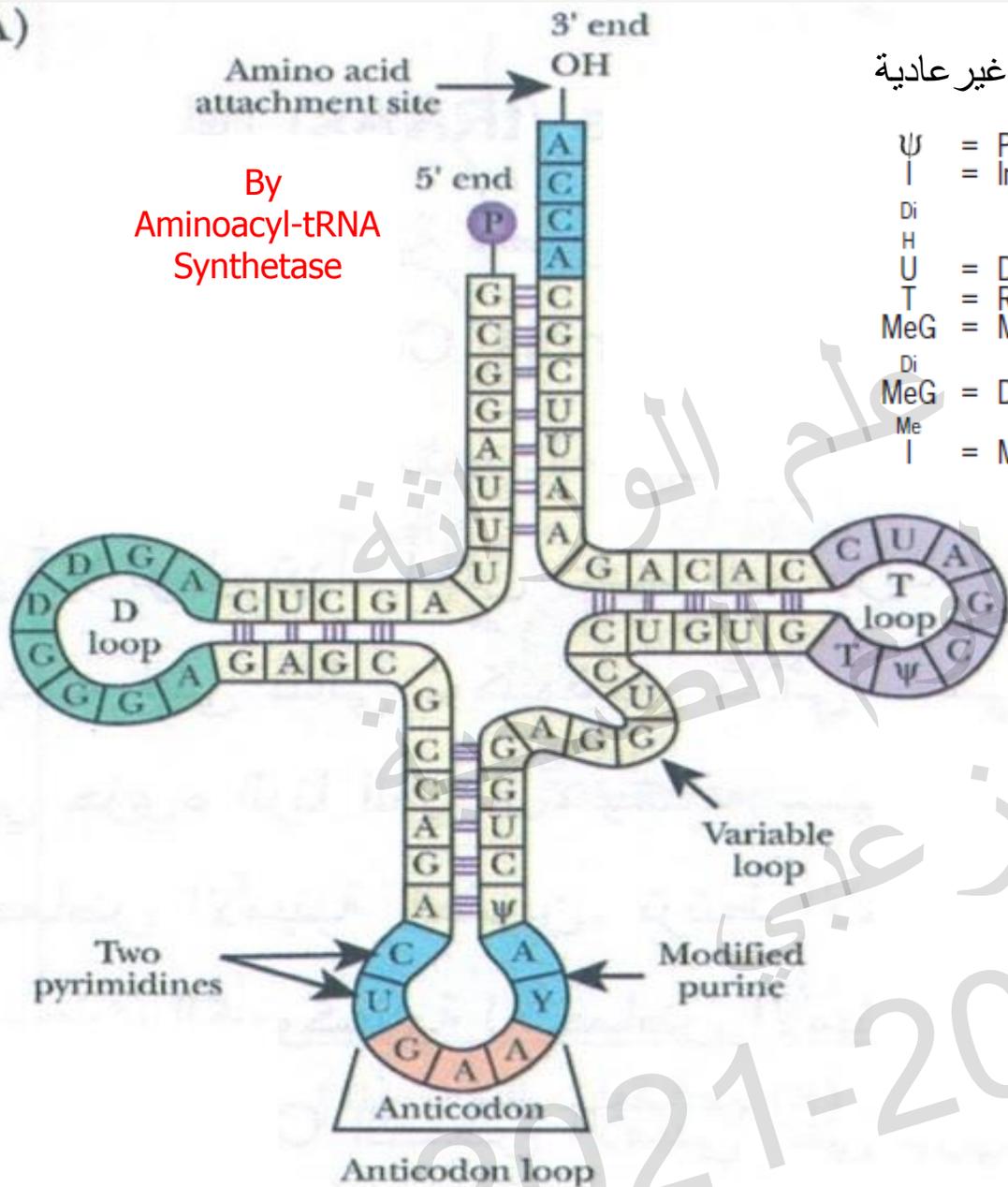


Step 2

ربط الحمض الأميني المفعّل إلى النهاية
3' لجزيء الـ tRNA.



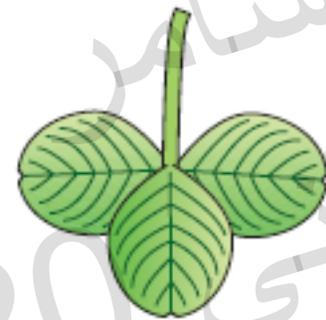
A)



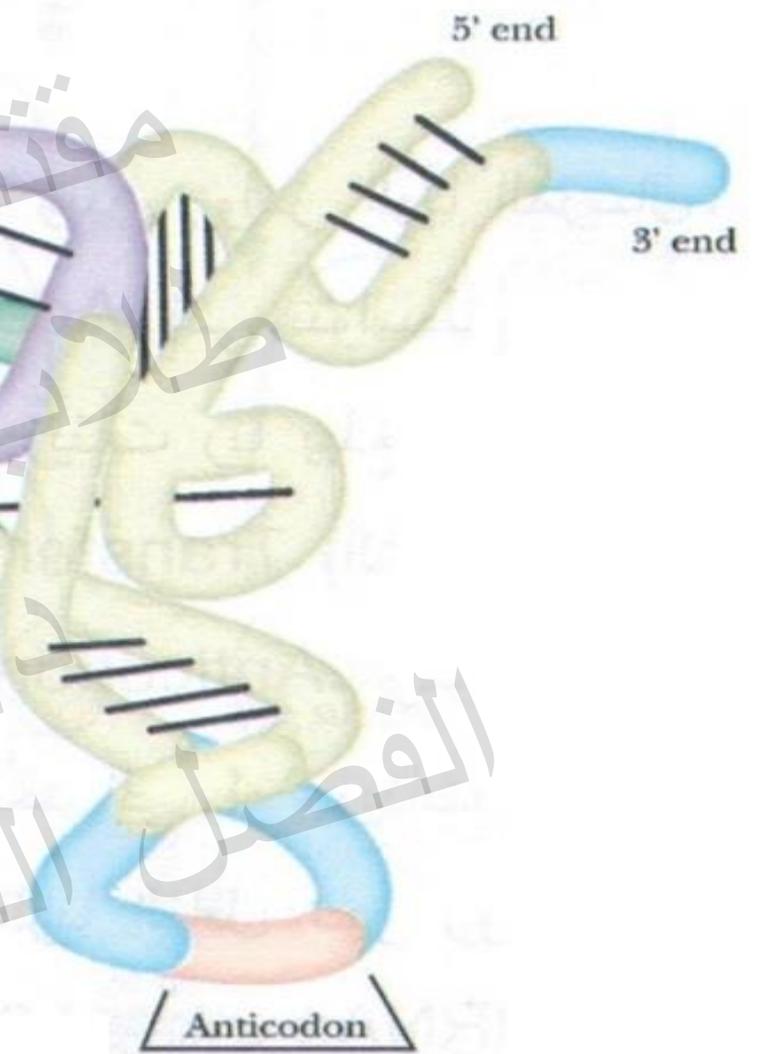
B)

نوكليو تيدات غير عادية

- Ψ = Pseudouridine
- I = Inosine
- Di H U = Dihydrouridine
- T = Ribothymidine
- MeG = Methyl guanosine
- Di MeG = Dimethyl guanosine
- Me I = Methyl inosine



a cloverleaf



بنية جزيء الرنا الناقل

أطوار الترجمة

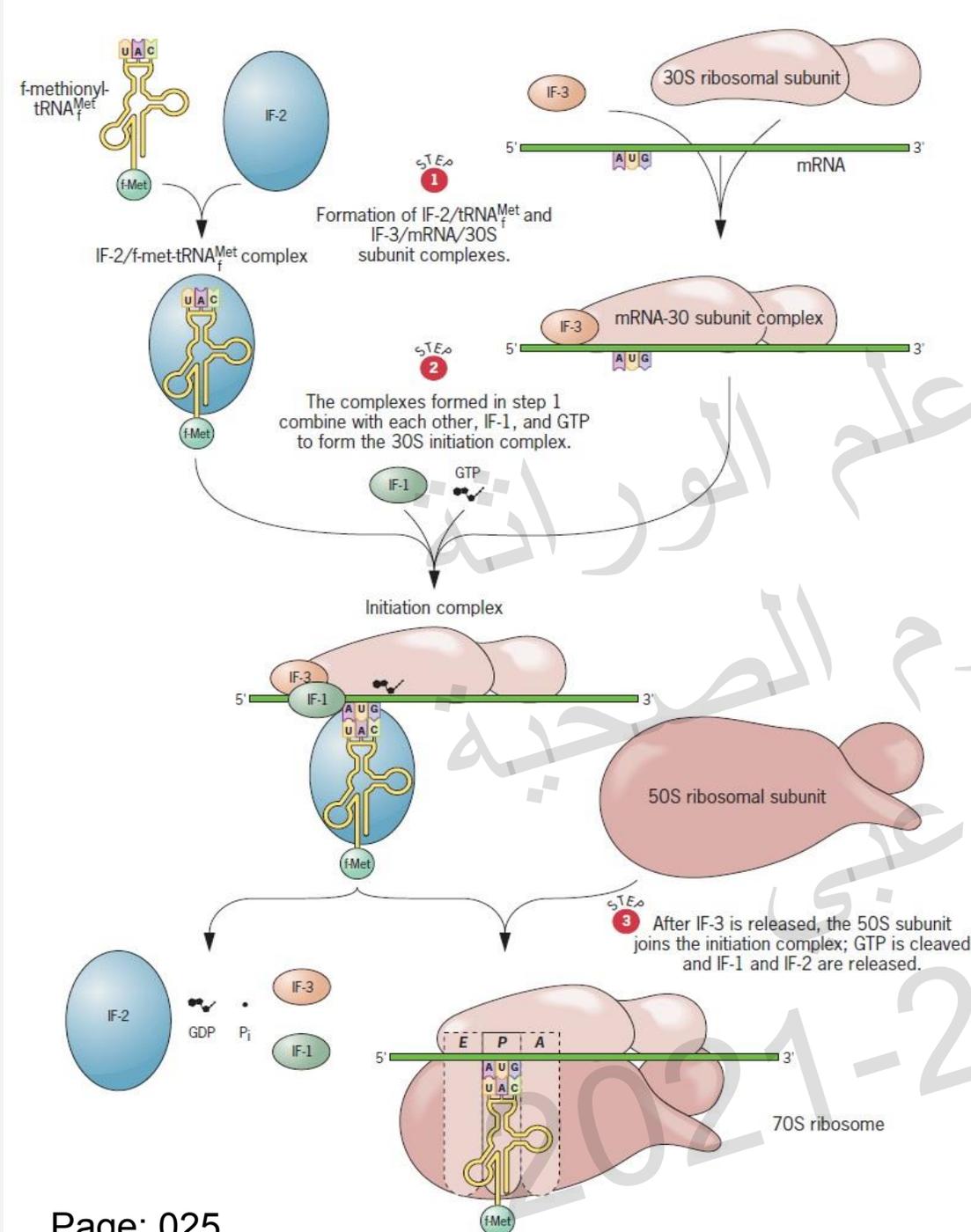
• طور البدء Initiation Phase

تعريفه: جميع الأحداث التي تسبق تشكل الرابطة الببتيدية التي تربط الحمضين الأول والثاني في سلسلة عديد الببتيد.

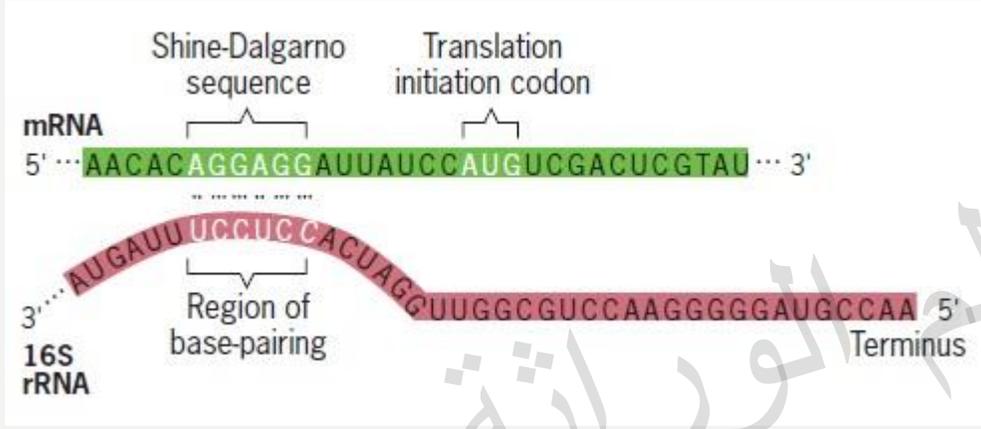
متطلباته في *E. coli*: الوحيدة الصغيرة 30S، الوحيدة الكبيرة 50S و جزيء mRNA و جزيء tRNA بادئ وثلاثة عوامل بدء هي IF1 ، IF2 ، IF3 و جزيء GTP واحد.

يبدأ طور البدء بتشكيل المعقد الأول بارتباط عامل البدء IF2 و الـ tRNA المحمل بالميثيونين، و المعقد الثاني بارتباط جزيء الـ mRNA والوحيدة الصغيرة 30S و عامل البدء IF3 الذي يتحكم بقدرة الوحيدة على البدء.

يرتبط المعقدان الأول والثاني مع بعضهما ومع العامل IF1 وجزيء GTP لتشكيل معقد 30S الكامل الذي تنضم إليه في الخطوة الأخيرة الوحيدة الكبيرة 50S لتشكيل الريباسة 70S الكاملة مع تحرر عوامل البدء الثلاثة و حلمهة جزيء GTP إلى GDP و فوسفات لا عضوية (Pi).

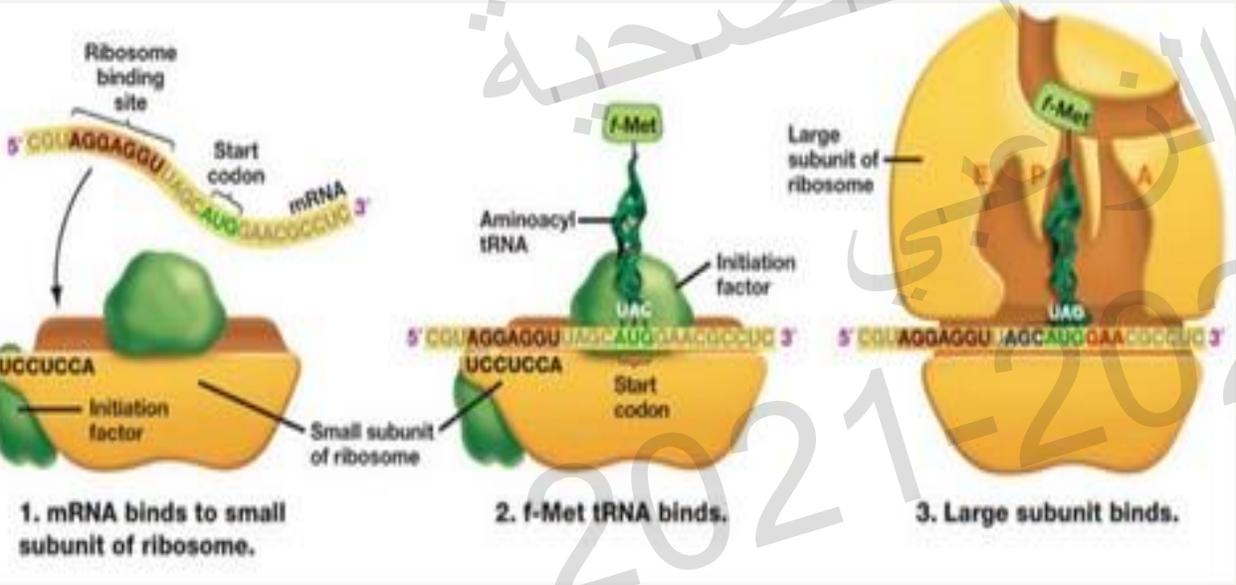


- يعتمد تشكيل المعقد 30S مع جزيء mRNA على تشافع تتالي نوكلوتيدي موجود عند النهاية 3' لجزيء 16S rRNA (المتضمن في 30S) مع تتالي نوكلوتيدي موجود عند النهاية 5' لجزيء mRNA يدعى بتتالي Shine Dalgarno في القسم غير المترجم أي 5' Untranslated region (5' UTR).



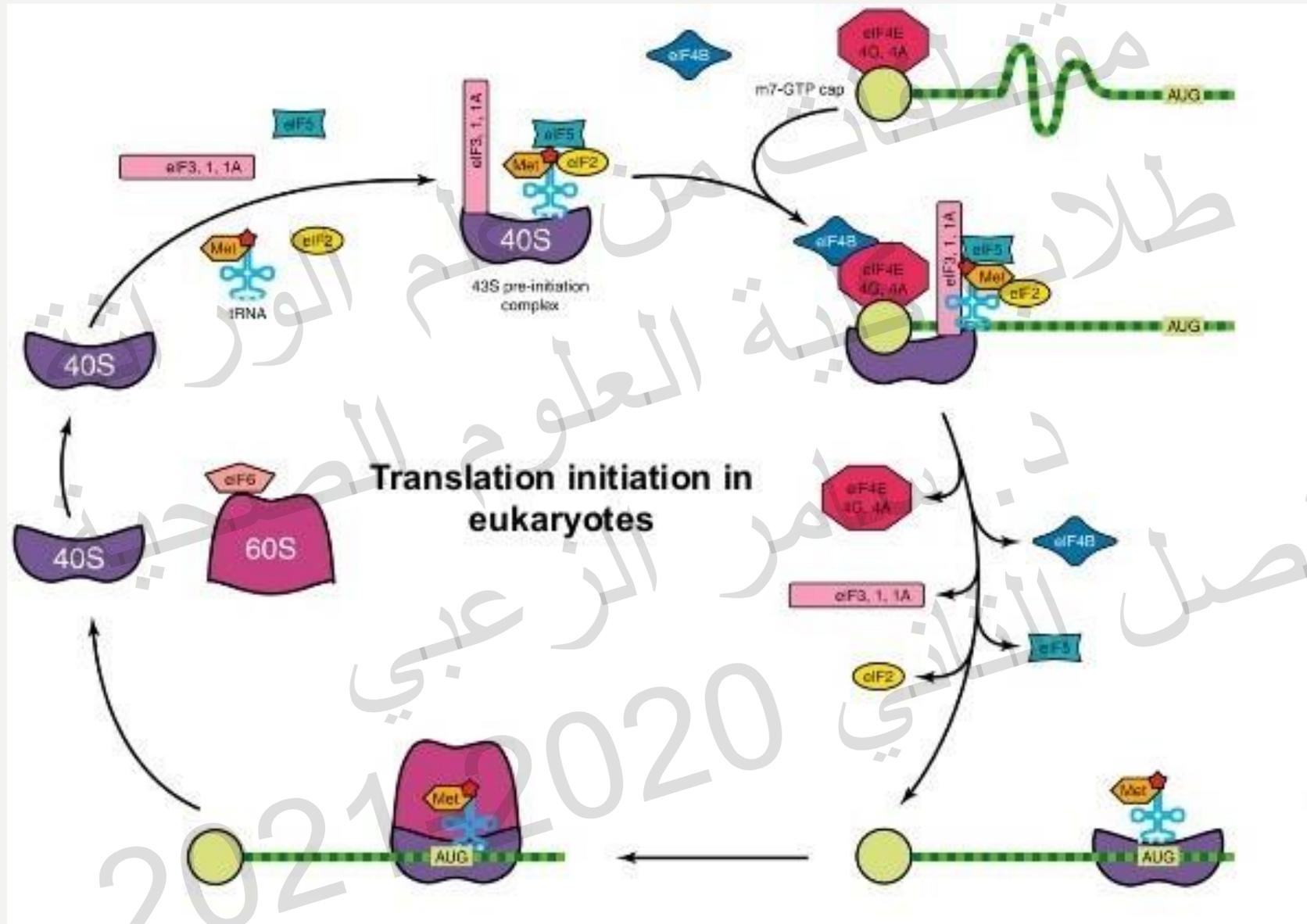
تشافع تتالي Shine Dalgarno

- تقوم إضافة الوحيدة الكبيرة 50S إلى معقد البدء بإرساء الميثيونيل tRNA في موقع الببتيديل P (P site) حيث يتشافع الرامز المعاكس لـ tRNA مع رامز البدء AUG وبذلك يكون الميثيونيل tRNA هو الـ RNA الناقل الوحيد الذي يدخل الجسم الريبي في الموقع P بشكل مباشر دون المرور أولاً بالموقع A.



الفرق في طور البدء Initiation Phase

حقيقات النوى	بدائيات النوى
أكثر تعقيداً متضمناً الكثير من عوامل البدء	أقل تعقيداً
الميثيونين غير معدل و لا يضاف له جذر الفورميل	الميثيونين معدل يضاف له جذر الفورميل
يتشكل معقد البدء في النهاية 5' للـ RNA المرسال دون وجود تتالي Shine Dalgarno	تشكل معقد البدء يحتاج لوجود تتالي Shine Dalgarno
<ul style="list-style-type: none"> • <u>تبدأ الترجمة عند أقرب تتالي لـ AUG من النهاية 5' للـ RNA المرسال</u> • <u>يرتبط الميثيونيل tRNA مع عامل بدء ويدخل الموقع P مباشرة.</u> • <u>يرتبط بروتين رابط للقنسوة Cap-Binding Protein (CBP) إلى القنسوة 7-methyl guanosine عند النهاية 5' للـ RNA المرسال، وهذا يؤدي إلى ارتباط عوامل بدء أخرى إلى معقد CBP-mRNA ثم بوحيدة 40S</u> • <u>يتحرك كامل المعقد بالاتجاه 5' إلى 3' باحثاً عن رامز AUG وحين يجده، تتحرر عوامل البدء من المعقد وترتبط الوحيدة 60S إلى المعقد السابق لتشكيل الريبوزم 80S الكامل والذي يكون جاهزاً لطور الإطالة.</u> 	



أطوار الترجمة

• طور الإطالة Elongation Phase

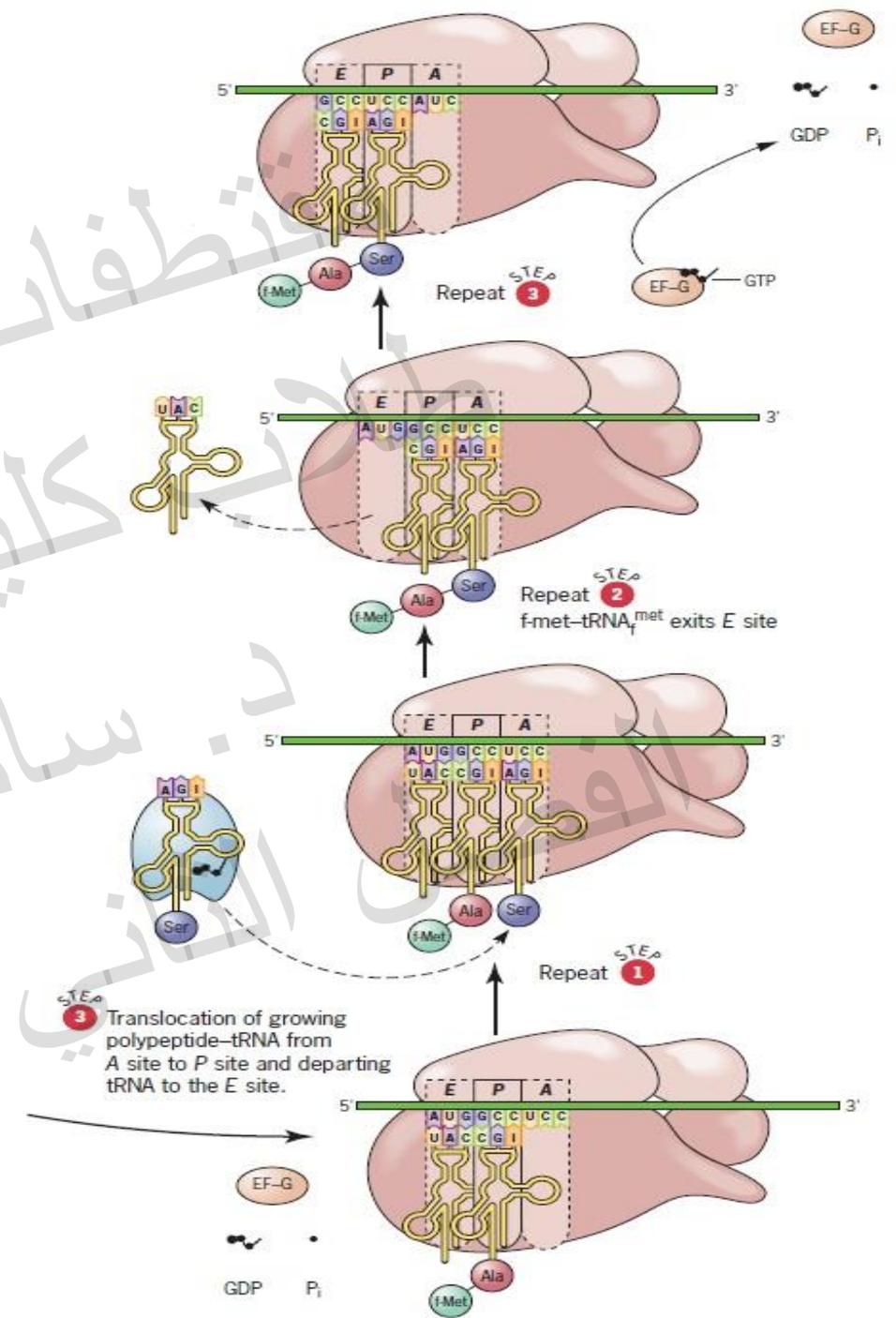
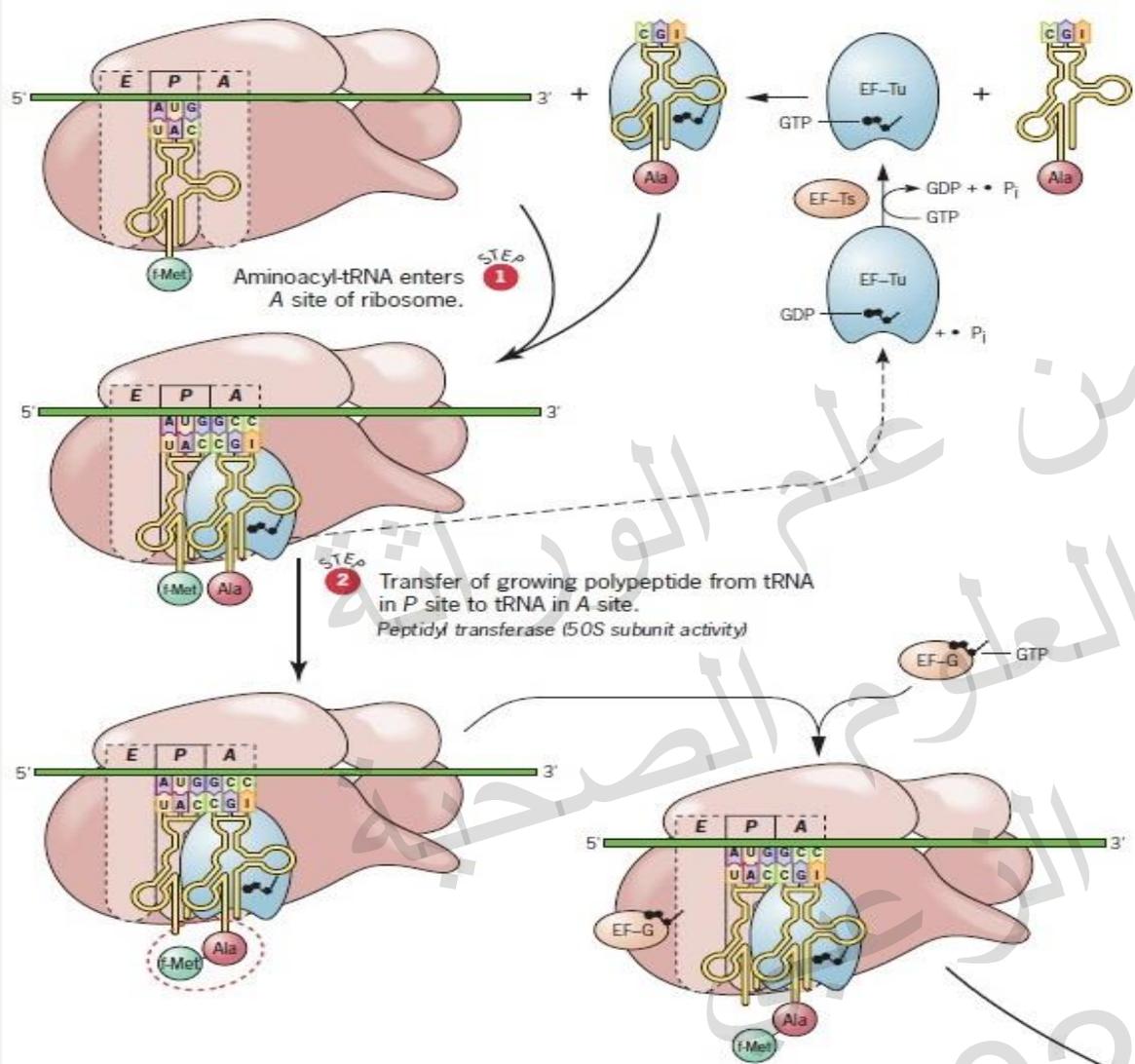
يكون طور الإطالة متماثل عند كل من بدائيات و حقيقيات النوى مع اختلاف عوامل الإطالة Elongation factors.

انظر الشكل التالي في الشريحة التالية:

يحفز تشكيل الرابطة الببتيدية بين النهاية الأمينية للحمض الأميني المحمل على ناقله في الموقع A و النهاية الكربوكسيلية لسلسلة عديد الببتيد المحمل في الموقع P بتوسط الفعالية الإنزيمية الناقلة للببتيد Peptidyl Transferase Activity التي يتمتع بها جزيء 23S rRNA المتضمن في الوحدة الكبيرة 50S.

يتطلب تشكيل الرابطة الببتيدية حلمة جزيء GTP الذي أحضره عامل البدء EF-Tu.

انظر الشكل التالي في الشريحة التالية:



في E.coli تستغرق إضافة حمض أميني جديد إلى سلسلة عديد الببتيد 0.05 من الثانية. لاصطناع عديد ببتيد يضم 300 حمضاً أمينياً نحتاج 15 ثانية !!!!!!!!!!!!!!!

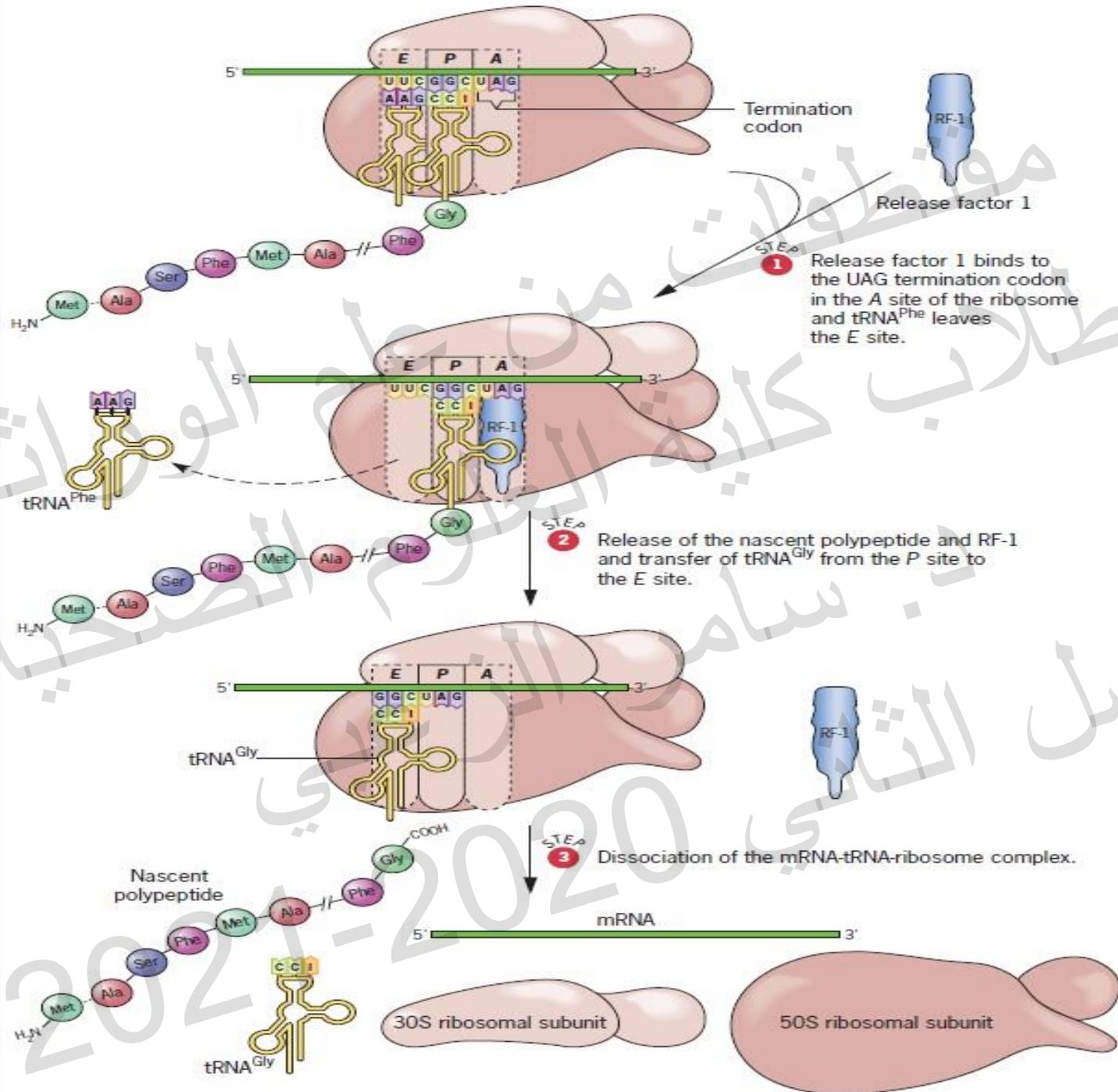
أطوار الترجمة

• طور الإنهاء Termination Phase

- بدايته: ينتهي طور الإطالة حين يدخل أي رامز من روامز التوقف الثلاثة (UAA, UAG, UGA) إلى الموقع A في الريبوزوم.
- لا توجد أي جزيئات tRNA تحتوي على روامز معاكسة يمكنها التشافع مع أي من روامز التوقف.
- حين يصل أحد روامز التوقف إلى الموقع A، تتوقف الريباسة لفترة قصيرة جداً.
- في غضون ذلك، تتعرف على روامز التوقف بروتينات تسمى عوامل الإطلاق (RFs) Release Factors التي تمتلك بنية فراغية شبيهة ببنية الـ tRNA تمكنها من الدخول و الارتباط في الموقع A.

عوامل الإطلاق (RFs) Release Factors	
حقيقيات النوى	بدائيات النوى
عامل إطلاق وحيد (eRF) Eukaryote RF يتعرف على روامز التوقف الثلاثة	RF1 يتعرف على UAG, UAA
	RF2 يتعرف على UGA, UAA

- يغير ارتباط عامل الإطلاق في الموقع A فعالية الببتيد ترانسفيراز للـ 23S rRNA المتضمن في الوحدة الكبيرة 50S، حيث يضيف جزيء ماء إلى النهاية الكربوكسيلية لسلسلة الببتيد.
- يطلق إضافة الماء عديد الببتيد من جزيء الـ RNA الناقل في الموقع P و يحفز انتقال الـ RNA الناقل الفارغ إلى الموقع E.
- يتحرر جزيء الـ mRNA من الريباسة التي تتفكك إلى وحدتيها المنفصلتين ليتم استخدامهما ثانية.



مواقع الترجمة ومصائر البروتين Translation sites & protein destinies

- البروتينات الهيولية: تضم بروتينات الهيكل الخلوي: تحصل ترجمتها على الريباسات الحرة في هيولى الخلية، وغالباً على الجسيمات المتعددة Polysomes المكونة من تجمع الريباسات على جزيء الـ RNA المرسل نفسه.
- بروتينات المتقدرات والصانعات الخضراء: تحصل ترجمة بعض بروتينات هاتين العضيتين على الريباسات الموجودة داخلهما، بينما تأتي الكثير من البروتينات الأخرى إليهما من هيولى الخلية بعد ترجمتها هناك و امتلاكها تسلسلات إشارية نوعية لهاتين العضيتين تتواسط توجيه هذه البروتينات إلى المتقدرات والصانعة الخضراء.
- البروتينات المفترزة في حقيقيات النوى: مثل الأنسولين، تحصل ترجمة هذه البروتينات على الريباسات المرتبطة بأغشية الشبكة الهيولية الباطنة. (يجري تشكيل معقد الريباسة 80S مع mRNA المشفر لهذه البروتينات والبدء بأولى خطوات الإطالة يحصل في الهيولى و من ثم يجلب التالي الإشاري في النهاية الأمينية لعديد الببتيد معقد الترجمة إلى أغشية الشبكة الهيولية الباطنة بسبب وجود مستقبل له على الغشاء يسهل دخول المعقد إلى غشاء الشبكة، حيث تستمر إطالة سلسلة عديد الببتيد مع دخوله إلى لمعة الشبكة الهيولية الباطنة. يتبع ذلك شطر الببتيد الإشاري بتواسط إنزيم Signal peptidase وتحرر عديد الببتيد إلى داخل اللمعة ومن ثم طيه وانتقاله داخل الحويصلات إلى جهاز غولجي ومن ثم إلى غشاء الخلية قبل أن يُفرز عديد الببتيد إلى خارج الخلية.
- بروتينات الجسيمات الحالة: تحصل ترجمة هذه البروتينات بشكل مماثل للبروتينات المفترزة مع فارق أن جهاز غولجي في حالة الجسيمات الحالة يُعَلَب هذه البروتينات ضمن حويصلات تتحول إلى جسيمات حالة.
- البروتينات العابرة للغشاء الهيولي Transmembrane proteins : تحصل ترجمة بروتينات الغشاء، و معظم البروتينات الأخرى في أغشية العضيات، بشكل مشابه للبروتينات المفترزة. أي تبدأ الترجمة أولاً في الهيولى، ثم يتم جلب الريباسات إلى أغشية الشبكة الهيولية الباطنة ولكن تحتوي البروتينات العابرة للغشاء على تتالي حموض أمينية كارهة للماء تتوسط إرساء البروتين الغشائي داخل الشبكة الهيولية الباطنة لتتشكل لاحقاً حويصلات تحتوي هذه البروتينات في أغشيتها و تنتقل لتتصهر مع الغشاء السيتوبلاسمي.

مقتطفات من علم الوراثة
طلاب كلية العلوم الصحية

شكراً لاستماعكم

د. سامر الزعبي
الفصل الثاني 2020-2021